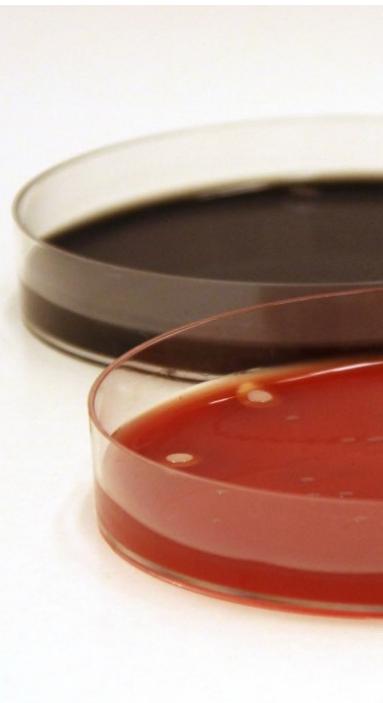


Kompetensprovning

Mikrobiologi – Livsmedel

April 2020

Jonas Ilbäck



Utgåva
Version 1 (2020-06-15)

Ansvarig utgivare
Maria Sitell, avdelningschef, Biologiavdelningen, Livsmedelsverket

Programansvarig
Jonas Ilbäck, mikrobiolog, Biologiavdelningen, Livsmedelsverket

PT april 2020 har diarienummer 2020/00833 vid Livsmedelsverket.

Kompetensprovning

Mikrobiologi – Livsmedel

April 2020

Kvantitativa analyser

- Aeroba mikroorganismer, 30 °C
- Psykrotrofa mikroorganismer
- Enterobacteriaceae
- *Escherichia coli*
- Presumtiv *Bacillus cereus*
- Koagulaspositiva stafylokocker
- Mjölkssyrabakterier
- *Clostridium perfringens*
- Anaeroba sulfitreducerande bakterier
- Aeroba mikroorganismer i fiskprodukter, 20-25 °C
- Vätesulfidproducerande bakterier i fiskprodukter
- Jäst
- Mögel

Förkortningar

Substrat

BA	Blodagar
BcsA	<i>Bacillus cereus</i> -selektiv-agar
BP	Baird-Parker-agar
CBC	Oxoid Brilliance™ <i>Bacillus cereus</i> agar
DG18	Dikloran-glycerol-agar
DRBC	Dikloran-Rose-Bengal-kloramfenikol-agar
EC	<i>E. coli</i> -buljong
EMB	Eosin-metylenblå-agar
JA	Järnagar
JSA	Järnsulfit-agar
LSB	Laurylsulfat-buljong
LTLSB	Laktos-trypton-laurylsulfat-buljong
mCP	Membran- <i>Clostridium perfringens</i> -agar
MPCA	Milk Plate Count agar
MRS	de Man, Rogosa och Sharpe-agar
MRS-aB	de Man, Rogosa och Sharpe-agar med amphotericin
MRS-S	de Man, Rogosa och Sharpe-agar med sorbinsyra
MSA	Mannitol-salt-agar
MYP	Mannitol-äggula-polymyxin-agar
OGYE	Oxytetracyklin-glukos-jästextrakt-agar
PAB	Perfringens-agar-bas
PDA	Potato Dextrose Agar
PEMBA	Polymyxin-pyruvat-äggula-mannitol-bromtymolblå-agar
Petrifilm AC	3MTM PetrifilmTM Aerobic Count
Petrifilm Disk	3MTM PetrifilmTM Staph Express Disk
Petrifilm EB	3MTM PetrifilmTM Enterobacteriaceae
Petrifilm EC/CC	3MTM PetrifilmTM <i>E. coli</i> /Coliform Count
Petrifilm LAB	3MTM PetrifilmTM Lactic Acid Bacteria
Petrifilm SEC	3MTM PetrifilmTM Select <i>E. coli</i>
Petrifilm Staph	3MTM PetrifilmTM Staph Express
PCA	Plate Count Agar
RPFA	Baird-Parker-agar med kanin-plasma-fibrinogen
Saubouraud	Saubouraud-kloramfenikol-agar
SC	Sulfit-cykloserin-agar
SFP	Shahidi-Ferguson-Perfringens-agar
SPS	Sulfit-polymyxin-sulfadiazin-agar
TBX	Trypton-galla-X-glukuronid-agar
TEMPO AC	TEMPO® Aerobic Count
TEMPO BC	TEMPO® <i>Bacillus cereus</i>
TEMPO EB	TEMPO® Enterobacteriaceae
TEMPO YM	TEMPO® Yeast/Mold
TGE	Trypton-glukos-extrakt-agar
TS	Tryptos-sulfit-agar
TSA	Trypton-soja-agar
TSC	Tryptos-sulfit-cykloserin-agar
VRG	Violettröd-galla-agar
VRGG	Violettröd-galla-glukos-agar
YGC	Jästextrakt-glukos-kloramfenikol-agar

Organisationer

AFNOR	French National Standardization Association
AOAC	AOAC INTERNATIONAL
ISO	International Organization for Standardization
NMKL	Nordisk Metodikkomité for Næringsmidler
SLV/NFA	Livsmedelsverket/Swedish Food Agency, Sweden

Innehåll

Allmän information om utvärdering av resultaten	6
Analysresultat från provtillfället april 2020	7
- Generellt utfall	7
- Aeroba mikroorganismer, 30 °C	8
- Psykrotrofa mikroorganismer	10
- Enterobacteriaceae	12
- <i>Escherichia coli</i>	13
- Presumtiv <i>Bacillus cereus</i>	15
- Koagulaspositiva stafylokokker	18
- Mjölkssyrabakterier	20
- <i>Clostridium perfringens</i>	22
- Anaeroba sulfitreducerande bakterier	24
- Aeroba mikroorganismer i fiskprodukter, 20-25 °C	26
- Vätesulfidproducerande bakterier i fiskprodukter	27
- Jäst och mögel	29
Utfall av enskilda laboratoriers analysresultat – bedömning	33
- Boxdiagram	34
Testmaterial och kvalitetskontroll	40
- Testmaterial	40
- Kvalitetskontroll av provblandningarna	41
Referenser	42
Bilaga 1 – Deltagarnas analyssvar	
Bilaga 2 – z-värden	

Allmän information om utvärdering av resultaten

Statistisk utvärdering av resultaten

För analyser där 20 eller fler laboratorier rapporterat resultat, identifieras extremvärden statistiskt. Värden som efter \log_{10} -transformering ligger utanför en strikt normalfördelning identifieras då som extremvärden med Grubbs test modifierat av Kelly (1). När färre än 20 laboratorier rapporterat resultat, samt i en del gränsfall, görs istället subjektiva justeringar av gränserna för extremvärden utifrån den kunskap som finns om provinnehållet.

Medelvärden och standardavvikeler redovisas normalt för de olika analyserna. För analyser med färre än 20 rapporterade resultat redovisas istället medianvärde. För metodgrupper som innehåller färre än 5 resultat redovisas normalt varken medelvärde eller medianvärde, utan endast antalet falska resultat och extremvärdens. Falska svar och extremvärdens inkluderas inte i beräkningar av medelvärden och standardavvikeler. Resultat som har rapporterats som ”> värde” utvärderas inte. Resultat som rapporterats som ”< värde” betraktas som noll.

Enligt EN ISO/IEC 17043, som Livsmedelsverkets kompetensprovningar är ackrediterade mot, är det obligatoriskt för deltagande laboratorier att rapportera metodinformation för alla analyser som de utför. Metoduppgifterna kan ibland vara svåra att tolka, till exempel när laboratorier uppger substrat som inte ingår i den refererade standarden. Som huvudregel används då likväld det av laboratoriet angivna substratet i metodjämförelser. Resultat från laboratorier med på annat sätt motsägelsefulla eller svårtydda metoduppgifter har normalt antingen exkluderats från metodjämförelsen eller lagts till gruppen "Övriga", tillsammans med resultat från metoder och substrat som endast används av enstaka laboratorier. Om något substrat inte har angetts, antas normalt att laboratoriet använt det av metoden föreskrivna substratet.

Mätsäkerhet för åsatt värde

Mätsäkerheten för ett åsatt värde beräknas som standardavvikelsen dividerat med kvadratroten ur antal korrekta svar ("standard error"). Åsatt värde är medelvärdet av deltagarnas resultat för en parameter med extremvärden och falska svar exkluderade.

Förklaringar till tabeller och figurer

Tabeller

- | | |
|---|--|
| N | antal laboratorier som utförde analysen |
| n | antal laboratorier med godkänt resultat (falska och extrema värden ingår inte) |
| m | medelvärde i \log_{10} cfu ml ⁻¹ (falska och extrema värden ingår inte) |
| s | standardavvikelse (falska och extrema värden ingår inte) |
| F | antal falskpositiva eller falsknegativa resultat |
| < | antal låga extremvärden |
| > | antal höga extremvärden |
|  | totalt resultat för analysen |
|  | värden som diskuteras i text |

Figurer

Frekvensdiagram visar fördelningen av deltagarnas resultat för varje prov och parameter. Analysens medelvärde anges ovanför staplarna.

- värden inom accepterat intervall (bilaga 1)
 - extremvärden
 - falsknegativa resultat
 - * värden utanför X-axelns intervall

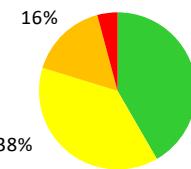
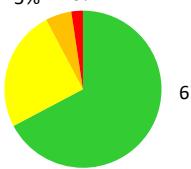
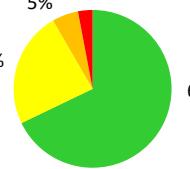
Analysresultat av provtillfälle april 2020

Generellt utfall

Provmaterial sändes ut till 184 laboratorier, varav 40 i Sverige, 128 i övriga Europa och 16 laboratorier i övriga världen. Av de 168 laboratorier som rapporterade svar hade 126 (75 %) minst ett analyssvar med anmärkning. Vid det senaste provtillfället med ungefär samma parametrar (april 2019) var andelen 51 %. Totalt sett något färre laboratorier än normalt rapporterade in svar; enligt kommunikation med flera deltagare är detta en konsekvens av minskade möjligheter att utföra analyser på grund av den pågående Covid-19-pandemin.

Individuella resultat för varje analys visas i bilaga 1 och finns även på hemsidan efter inloggning <https://www2.slv.se/absint>.

Tabell 1. Sammansättning av testmaterialet och andel avvikande svar (N: antal rapporterade resultat, F: falskpositiv / falsknegativ, X: extremvärdet).

	Prov A				Prov B				Prov C			
% deltagare med	 0 avvikande svar 1 avvikande svar 2 avvikande svar >2 avvikande svar				 0 avvikande svar 1 avvikande svar 2 avvikande svar >2 avvikande svar				 0 avvikande svar 1 avvikande svar 2 avvikande svar >2 avvikande svar			
Mikroorganismer	<i>Aeromonas hydrophila</i> <i>Clostridium perfringens</i> <i>Staphylococcus warneri</i> <i>Staphylococcus aureus</i> <i>Shewanella putrefaciens</i>				<i>Aspergillus flavus</i> <i>Bacillus cereus</i> <i>Brochothrix thermosphacta</i> <i>Clostridium perfringens</i> <i>Hanseniaspora uvarum</i> <i>Shewanella putrefaciens</i>				<i>Bacillus cereus</i> <i>Cladosporium cladosporioides</i> <i>Escherichia coli</i> <i>Kluyveromyces marxianus</i> <i>Lactobacillus plantarum</i> <i>Staphylococcus xylosus</i>			
Analys	Målorganism	N	F	X	Målorganism	N	F	X	Målorganism	N	F	X
Aeroba mikroorganismer, 30 °C	Alla utom <i>C. perfringens</i>	154	0%	3%	Alla	153	1%	1%	Alla	153	0%	1%
Psykrotrofa mikroorganismer	Alla utom <i>C. perfringens</i>	23	22%	0%	<i>B. thermosphacta</i>	23	0%	0%	Alla	23	9%	0%
Enterobacteriaceae	(<i>A. hydrophila</i>)	135	47%	0%	-	135	2%	0%	<i>E. coli</i>	135	1%	7%
<i>E. coli</i>	-	119	2%	0%	-	119	0%	0%	<i>E. coli</i>	118	2%	3%
Presumptiv <i>B. cereus</i>	(<i>A. hydrophila</i>)	120	5%	0%	<i>B. cereus</i>	123	1%	2%	<i>B. cereus</i>	120	11%	4%
Koagulaspositiva stafylokokker	<i>S. aureus</i> (<i>S. warneri</i>)	110	3%	24%	-	109	6%	0%	(<i>S. xylosus</i>)	109	11%	0%
Mjöllksyrabakterier	(<i>S. aureus</i> , <i>S. warneri</i>)	54	28%	0%	-	54	46%	0%	<i>L. plantarum</i>	54	4%	2%
<i>C. perfringens</i>	<i>C. perfringens</i>	60	5%	7%	<i>C. perfringens</i>	60	5%	0%	-	58	2%	0%
Anaerob. sulfitted. bakterier	<i>C. perfringens</i>	68	1%	4%	<i>C. perfringens</i>	68	3%	3%	-	69	0%	0%
Aeroba mikroorg. i fiskprodukter	Alla utom <i>C. perfringens</i>	38	0%	0%	Alla	38	0%	0%	Alla	38	0%	3%
H2S-prod. bakterier i fiskprodukter	<i>S. putrefaciens</i>	33	0%	0%	<i>S. putrefaciens</i>	32	9%	9%	-	32	0%	0%
Jäst	-	131	2%	0%	<i>H. uvarum</i>	131	2%	5%	<i>K. marxianus</i>	130	1%	6%
Mögel	-	127	2%	0%	<i>A. flavus</i>	127	2%	4%	<i>C. cladosporioides</i>	125	8%	2%

- saknar målorganism; mikroorganism = huvudsaklig målorganism; (*mikroorganism*) = falskpositiv före konfirmering

Aeroba mikroorganismer, 30 °C

Prov A

Stammarna av *A. hydrophila*, *S. warneri*, *S. aureus* och *S. putrefaciens* var målorganismer. Det rapporterades tre låga och två höga extremvärden.

Prov B

Samtliga stammar i provet var målorganismer. Det rapporterades ett högt extremvärde och ett falsknegativt resultat.

Resultaten fördelade sig med en huvudtopp kring $\log_{10} 4,0 \text{ cfu ml}^{-1}$ och en mindre topp kring $\log_{10} 4,8 \text{ cfu ml}^{-1}$. Förekomsten av två toppar beror sannolikt på om *B. thermosphacta* detekterats eller inte. *B. thermosphacta* förekom i en förväntad halt om $\log_{10} 4,7 \text{ cfu ml}^{-1}$, medan övriga mikroorganismer förekom i halter lägre än $\log_{10} 4,0 \text{ cfu ml}^{-1}$.

Resultaten i den högre toppen kunde kopplas till användning av Petrifilm AC. *B. thermosphacta* är en psykrotrof mikroorganism, men kan även växa fram vid 30 °C. Det är möjligt att användning av Petrifilm AC är mer skonsam mot *B. thermosphacta* jämfört med ingjutningsmetoden som ofta används med PCA. Det kan här noteras att *B. thermosphacta* ser ut att ha detekterats vid halter kring $\log_{10} 4,7 \text{ cfu ml}^{-1}$ vid analysen av såväl psykrotrofa mikroorganismer som aeroba mikroorganismer i fisk och fiskprodukter. Vid dessa båda analyser sker inkubering vid lägre temperatur än 30 °C.

Prov C

Samtliga stammar i provet var målorganismer. Det rapporterades ett lågt och ett högt extremvärde.

Allmänt om analyserna

Som vid tidigare provtillfällen följde laboratorierna främst NMKL 86:2013 (29 %), 3M Petrifilm (21 %) och ISO 4833-1:2013 (20 %). De äldre NMKL 86:2006 och ISO 4833:2003 användes fortfarande av 8 % respektive 5 % av laboratorierna. De olika metoderna är dock snarlika, och baseras alla på inkubering på PCA eller MCPA vid 30 °C i 72 h. Med Petrifilm AC kan däremot laboratorier använda olika tid/temperatur, beroende på vilken metodvalidering som följs. Exempelvis föreskriver AOAC® 990.12 inkubering vid 35 °C i 48 h medan AFNOR 3M 01/1-09/89 föreskriver 30 °C i 72 h.

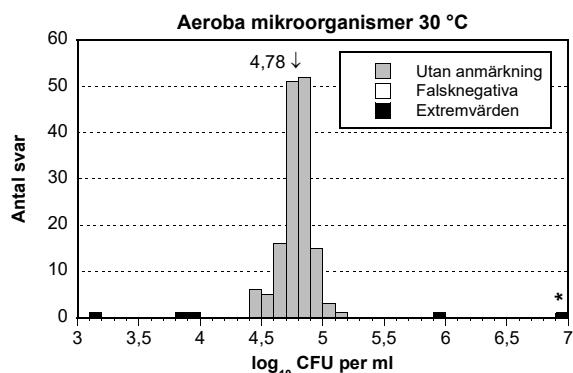
Majoriteten av laboratorierna inkuberade på antingen PCA eller Petrifilm AC. Inkubering på MPCP gjordes främst av laboratorier inom mjölkindustrin. Inkubering på TSA skedde främst vid användning av en företagsspecifik metod. Ett mindre antal laboratorier använde TEMPO AC, som är baserad på MPN (Most Probable Number). Med denna metod inkuberas provet i ett kort som innehåller brunnar med olika volymer. Ett substrat i brunnarna avger fluorescens när det hydrolyseras av mikroorganismerna. Antalet mikroorganismer bestäms sedan genom antalet och storleken på de brunnar som fluorescerar.

Resultat från analys av aeroba mikroorganismer, 30 °C

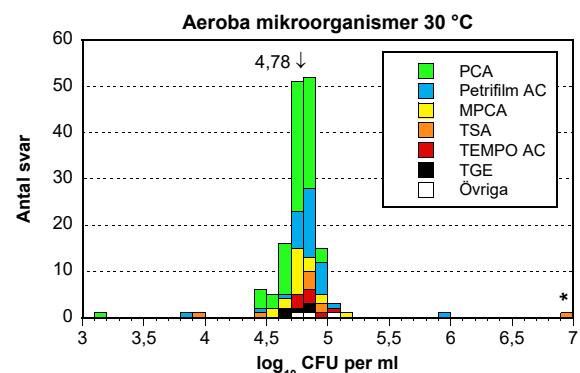
Substrat	Prov A					Prov B					Prov C				
	N	n	m	s	F < >	N	n	m	s	F < >	N	n	m	s	F < >
Alla svar	154	149	4,78	0,12	0 3 2	153	151	4,21	0,43	1 0 1	153	151	4,39	0,26	0 1 1
PCA	74	73	4,75	0,11	0 1 0	74	73	4,06	0,37	1 0 0	74	73	4,31	0,26	0 1 0
Petrifilm AC	35	33	4,83	0,11	0 1 1	35	35	4,69	0,32	0 0 0	35	35	4,55	0,23	0 0 0
MPCA	20	20	4,76	0,13	0 0 0	19	19	3,90	0,17	0 0 0	19	19	4,35	0,18	0 0 0
TSA	9	7	4,83	0,16	0 1 1	9	8	4,15	0,25	0 0 1	9	8	4,49	0,20	0 0 1
TEMPO AC	8	8	4,85	0,11	0 0 0	8	8	4,26	0,31	0 0 0	8	8	4,58	0,16	0 0 0
TGE	5	5	4,75	0,10	0 0 0	5	5	3,94	0,25	0 0 0	5	5	4,44	0,13	0 0 0
Övriga*	3	3	-	-	0 0 0	3	3	-	-	0 0 0	3	3	-	-	0 0 0

* Bland övriga substrat ingår BA och Compact Dry TC.

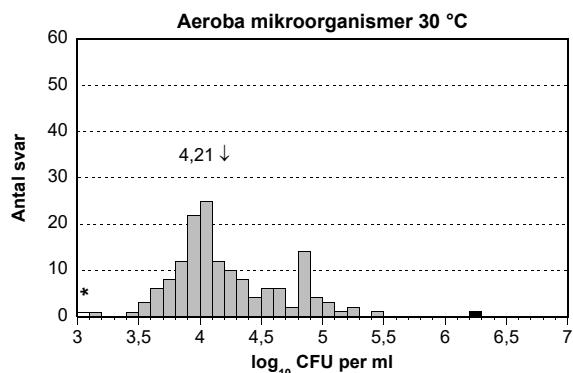
A



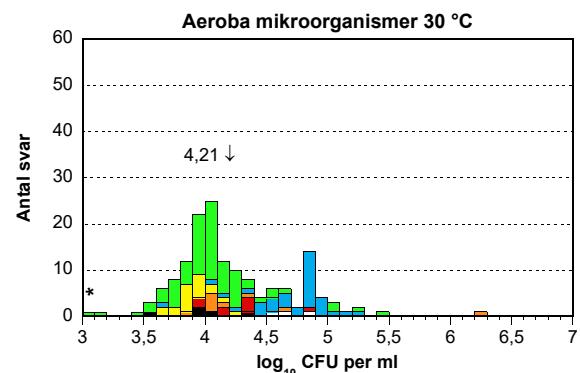
A



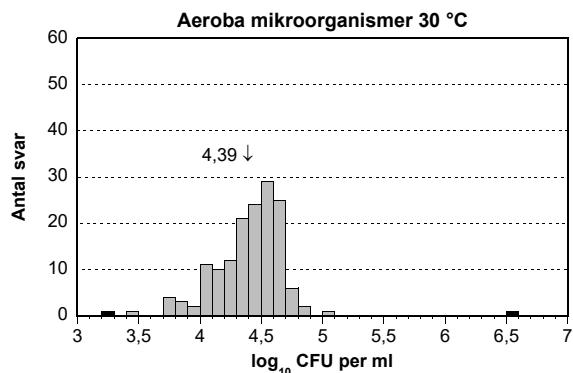
B



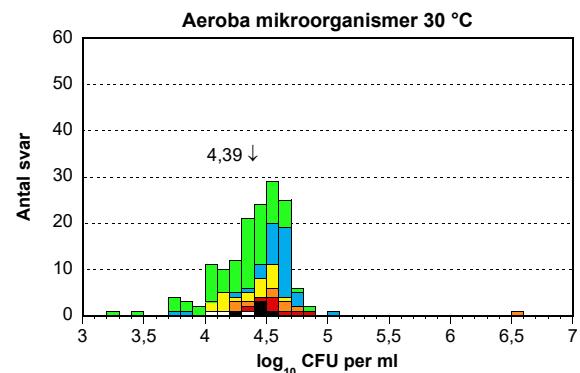
B



C



C



Psykrotrofa mikroorganismer

Prov A

Stammarna av *A. hydrophila*, *S. warneri*, *S. aureus* och *S. putrefaciens* var målorganismer. Vid Livsmedelsverkets kontroll erhölls en koncentration på $\log_{10} 3,06$ cfu ml⁻¹ efter tio dygns inkubering på PCA vid 6,5 °C. Kolonierna som räknades var små och en lupp kan därför ha behövs användas vid avläsning.

Fem laboratorier rapporterade falsknegativt resultat. Endast 18 laboratorier rapporterade alltså positivt resultat, varför inga extremvärden har identifierats statistiskt. Därför visas också medianvärde istället för medelvärde i tabeller och figurer nedanför.

Prov B

Stammen av *B. thermosphacta* förekom i högst koncentration och var därmed huvudsaklig målorganism. I provet fanns i något lägre koncentrationer även *B. cereus* och *S. putrefaciens*. Dessa växer dock sämre än *B. thermosphacta* vid låga temperaturer. Övriga mikroorganismer i provet förekom i betydligt lägre koncentrationer. Vid Livsmedelsverkets kontroll erhölls en koncentration på $\log_{10} 4,74$ cfu ml⁻¹ efter tio dygns inkubering på PCA vid 6,5 °C.

Det rapporterades inga extremvärden och inga falsknegativa resultat.

Prov C

Samtliga stammar i provet var målorganismer. Vid Livsmedelsverkets kontroll erhölls en koncentration på $\log_{10} 4,34$ cfu ml⁻¹ efter tio dygns inkubering på PCA vid 6,5 °C.

Det rapporterades två falsknegativa resultat.

Allmänt om analyserna

Totalt 23 laboratorier utförde analysen. Majoriteten av dessa (70 %) inkuberade på PCA, men även MPCA (13 %) och Petrifilm AC (13 %) förekom. Ett laboratorium inkuberade på Long & Hammer-agar.

Som vid tidigare provtillfällen varierade inkuberingsförhållanden stort, vilket beror på skillnader i de metoder som används av laboratorierna. NMKL 86:2013 föreskriver 10 dygn vid 6,5 °C, men även 20 h vid 17 °C följt av 3 dygn vid 7 °C kan användas. För mjölk räknas med ISO 6730:2005/IDF 101:2005 psykrotrofa mikroorganismer vid 6,5 °C. Den andra metoden för mjölk, ISO 8552:2004/IDF 132:2004, ger en uppskattning av antalet psykrotrofa mikroorganismer genom en snabbmetod med inkubering vid 21 °C. Bägge dessa har nyligen ersatts av ISO 17410:2019, vilken som huvudprincip anger inkubation vid 6,5 °C. Tre laboratorier angav NMKL 74:2000, vilken har ersatts av NMKL 86:2013.

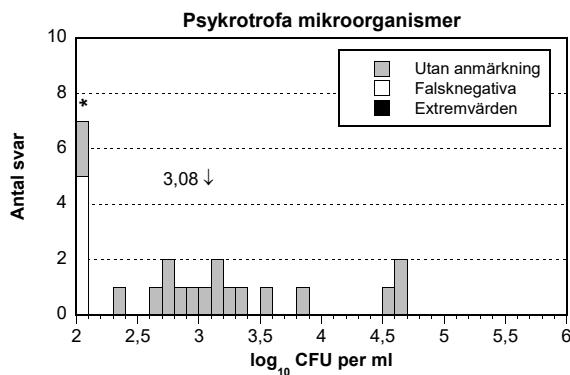
Det låga antalet deltagare gör det svårt att koppla förekommande falsknegativa resultat till någon specifik metod eller substrat. Resultaten är därför svåra att utvärdera, speciellt eftersom några laboratorier angav temperatur, inkuberingstid eller substrat som inte stämde överens med angiven metod. Majoriteten av de av laboratorierna angivna metoderna kunde dock fördelas i tre grupper. Generellt användes 21-22 °C tillsammans med 24 h inkubering medan 6,5 °C användes med 10 dygns inkubering. 17 °C / 7 °C användes normalt med inkubering i 20 h vid 17 °C, följt av 3 dygn vid 7 °C.

Resultat från analys av psykrotrofa mikroorganismer

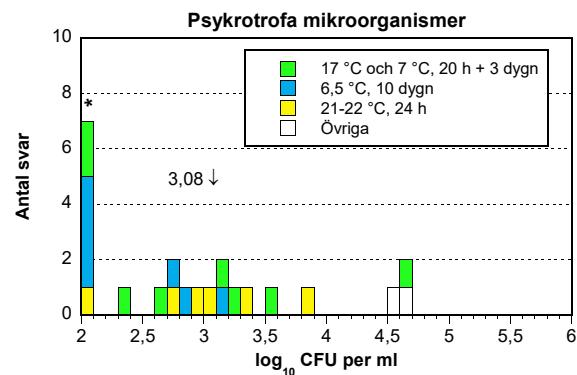
Metod	Prov A					Prov B					Prov C										
	N	n	Med*	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>
Alla svar	23	18	3,08	0,89	5	0	0	23	23	4,62	0,48	0	0	0	23	21	4,11	0,34	2	0	0
17 och 7 °C, 20 h + 3 dygn	8	6	3,19	0,82	2	0	0	8	8	4,49	0,74	0	0	0	8	7	3,85	0,40	1	0	0
6,5 °C, 10 dygn	7	5	2,79	0,74	2	0	0	7	7	4,56	0,25	0	0	0	7	6	4,04	0,14	1	0	0
21-22 °C, 24 h	6	5	3,04	0,42	1	0	0	6	6	4,77	0,25	0	0	0	6	6	4,31	0,07	0	0	0
Övriga	2	2	-	-	0	0	0	2	2	-	-	0	0	0	2	2	-	-	0	0	0

* Med = median

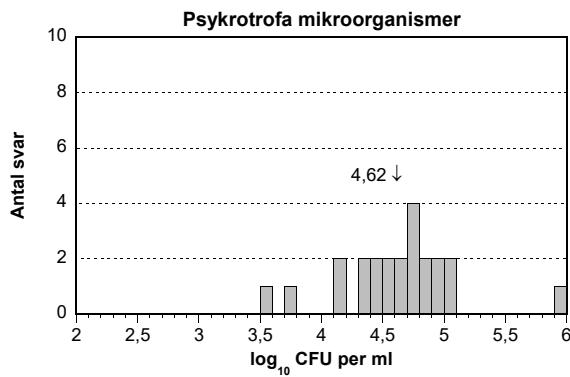
A



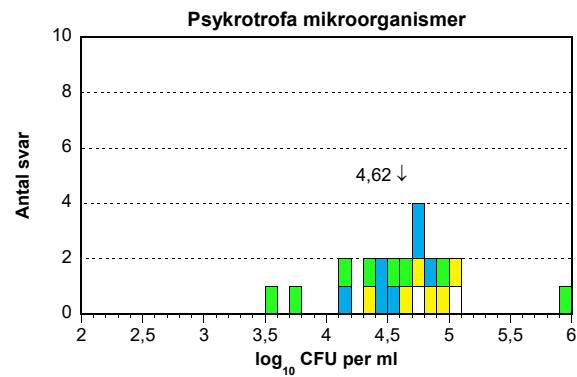
A



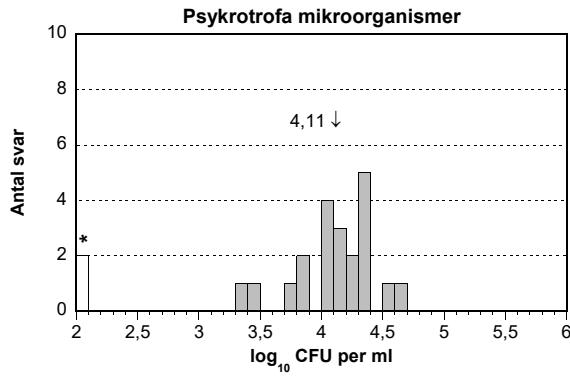
B



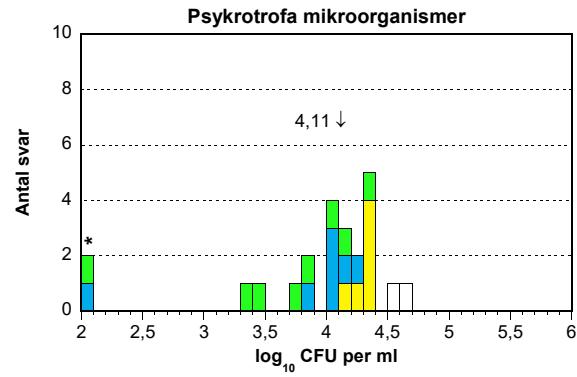
B



C



C



Enterobacteriaceae

Prov A

Ingen målorganism för analysen fanns i provet. Trots detta rapporterade 63 av 135 laboratorier (47 %) falskpositivt resultat.

Stammen av *A. hydrophila* är falskpositiv för analysen. Vid Livsmedelsverkets kvalitetskontroll observerades denna växa fram med lila kolonier på VRGG. *A. hydrophila* är dock oxidaspositiv och kan därmed särskiljas från Enterobacteriaceae efter konfirmering med oxidastest.

De falskpositiva resultaten kunde främst kopplas till användning av Petrifilm EB och TEMPO EB, även om många falskpositiva resultat också rapporterades av laboratorier som inkuberade på VRGG. De falskpositiva resultaten kunde också tydligt kopplas till laboratorier som inte utförde ett konfirmeringssteg.

Prov B

Ingen målorganism för analysen fanns i provet.

Det rapporterades tre falskpositiva resultat.

Prov C

Stammen av *E. coli* var målorganism och förekom med cirka $\log_{10} 3,7 \text{ cfu ml}^{-1}$ i provet. Vid Livsmedelsverkets kvalitetskontroll växte denna fram på VRGG med typiska mörkröda kolonier omgivna av en utfällningszon av gallsalter. Stammen var också oxidasnegativ vid konfirmering. Inga andra kolonier observerades vid Livsmedelsverket på VRGG.

Det rapporterades sju låga och tre höga extremvärden, samt ett falsknegativt resultat.

Allmänt om analyserna

Enterobacteriaceae är gramnegativa och oxidasnegativa bakterier, som fermenterar glukos under syrabildning. På VRGG bildar de därfor rosa/röda kolonier, med eller utan utfällningszon av gallsalter. Enterobacteriaceae har ett liknande utseende på Petrifilm EB, som även innehåller en färgindikator för detektion av sura biprodukter och vars plastfilm påvisar gasproduktion.

Som vid tidigare kompetensprovningar följe de flesta laboratorier antingen NMKL 144:2005 (43 %) eller en metod med Petrifilm EB (24 %), medan ISO-metoderna (olika versioner) totalt stod för 20 %. ISO 21528-2:2017 är baserad på koloniräkning, medan ISO 21528-1:2017 är baserad på MPN (Most Probable Number). Den senare metoden rekommenderas när den förväntade halten Enterobacteriaceae är lägre än 100 cfu g^{-1} .

Andelen användare av den nya ISO 21528-2:2017 var högre än ISO 21528-2:2004 (10 % respektive 4 %). Som jämförelse angav sex laboratorier (4 %) den äldre ISO 21528-1:2004 medan endast ett angav den nya ISO 21528-1:2017.

NMKL 144:2005 anger konfirmering av presumtiva kolonier på VRGG med oxidastest. ISO 21528-2:2017 anger konfirmering av presumtiva kolonier med både oxidastest och ett test för fermentering av glukos. Majoriteten av de laboratorier som här angav att de utförde konfirmering specificerade att denna bestod av ett oxidastest.

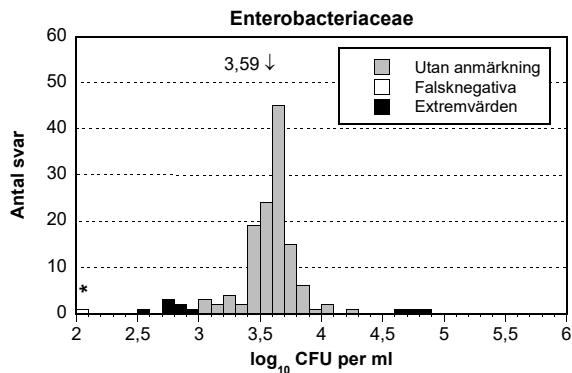
Förutom vad som nämnts om de falskpositiva resultaten för prov A, kunde inga tydliga skillnader ses i resultaten mellan de olika substrat och metoder som användes. Något

högre resultat för TEMPO EB har observerats vid flera tidigare provtillfällen, men en sådan trend kunde inte ses denna gång.

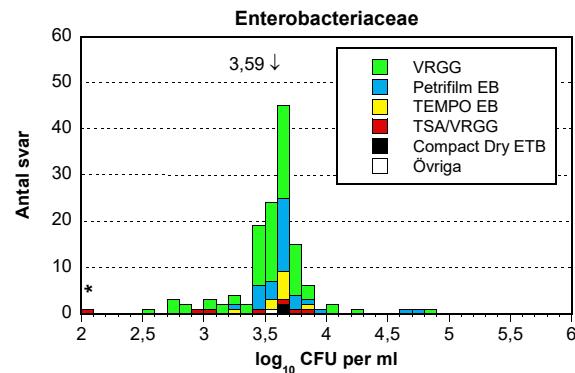
Resultat från analys av Enterobacteriaceae

Substrat	Prov A						Prov B						Prov C						
	N	n	m	s	F	< >	N	n	m	s	F	< >	N	n	m	s	F	< >	
Alla svar	135	72	-	-	63	-	135	132	-	-	3	-	135	124	3,59	0,18	1	7	3
VRGG	83	54	-	-	29	-	83	81	-	-	2	-	82	75	3,58	0,20	0	6	1
Petrifilm EB	32	9	-	-	23	-	32	32	-	-	0	-	33	31	3,61	0,13	0	0	2
TEMPO EB	10	4	-	-	6	-	10	10	-	-	0	-	10	10	3,61	0,15	0	0	0
TSA/VRGG	7	4	-	-	3	-	7	7	-	-	0	-	7	5	3,54	0,29	1	1	0
Compact Dry ETB	2	1	-	-	1	-	2	1	-	-	1	-	2	2	-	-	0	0	0
Övriga	1	0	-	-	1	-	1	1	-	-	0	-	1	1	-	-	0	0	0

C



C



Escherichia coli

Prov A

Ingen målorganism för analysen fanns i provet.

Det rapporterades två falskpositiva resultat.

Prov B

Ingen målorganism för analysen fanns i provet.

Det rapporterades inga falskpositiva resultat.

Prov C

Stammen av *E. coli* var målorganism och förekom med cirka $\log_{10} 3,7$ cfu ml^{-1} i provet. Denna växer normalt fram på TSA/VRG med typiska mörkröda kolonier omgivna av en röd utfällningszon. Vid Livsmedelsverkets kvalitetskontroll observerades inga andra kolonier på TSA/VRG. Vid konfirmering bildade stammen både gas och indol i LTLSB. Stammen var även positiv för β -glukuronidas.

Det rapporterades ett lågt och tre höga extremvärden, samt två falsknegativa resultat.

Allmänt om analyserna

Totalt 30 % av laboratorierna angav att man använde någon form av metod baserad på 3TM PetrifilmTM, NMKL 125:2005 och ISO 16649-2:2001 användes som jämförelse av 32 % respektive 18 % av laboratorierna. Här kan dock tilläggas att några av de laboratorier som följde NMKL 125:2005 och ISO 16649-2:2001 samtidigt angav att de inkuberade på Petrifilm EC/CC eller Petrifilm SEC.

Bland de mindre vanligt förekommande metoderna fanns ISO 7251:2005 och NMKL 96:2009. ISO 7251 är en metod baserad på MPN för detektion av *E. coli*. Även NMKL 96 är en MPN-metod, anpassad för analys av koliforma bakterier, termotoleranta koliforma bakterier och *E. coli* i fisk och skaldjur. Ett laboratorium angav NMKL 164:2005 (*E. coli* O157), vilket inte är korrekt. Denna metod finns dessutom i en reviderad upplaga, NMKL 164:2019. Det kan också nämnas att NMKL 125 är under revidering, och den nya versionen är tänkt att bli mer lik ISO 16649-2.

Definitionen av *E. coli* skiljer sig åt mellan metoderna. ISO 16649-2:2001 definierar *E. coli* som de bakterier som bildar typiska blå kolonier på TBX efter 18-24 h vid 44 °C. Den blå färgen på kolonierna beror på att β-glukuronidas hos *E. coli* reagerar med en indikator i substratet. Någon ytterligare konfirmering av β-glukuronidaspositiva kolonier görs inte enligt ISO 16649-2:2001. Även Petrifilm EC/CC och Petrifilm SEC använder substrat som detekterar β-glukuronidas hos *E. coli*. Plastfilmen dessa båda substrat möjliggör dessutom detektion av gasproduktion till följd av laktosfermentering. NMKL 125:2005 behandlar som jämförelse både analysen av termotoleranta koliforma bakterier och av *E. coli*. Termotoleranta koliforma bakterier definieras som de som bildar typiska mörkröda kolonier omgivna av en röd utfällningszon på VRG efter 24 h vid 44 °C. Konfirmering sker genom inokulering i antingen EC eller LTLSB. I dessa båda substrat ger termotoleranta koliforma bakterier upphov till gasproduktion till följd av laktosfermentering. Som *E. coli* räknas sedan de termotoleranta koliforma bakterier som även producerar indol i antingen LTLSB eller tryptobuljong.

Konfirmering ser ut att ha utförts i hög grad av laboratorierna i de fall när metoden kräver det. Till exempel konfirmerade 88 % av de laboratoriér som följde NMKL 125:2005. Konfirmering angavs mer sällan av laboratoriér som använde Petrifilm eller som följde ISO 16649-2:2001, vilket är rimligt eftersom dessa metoder inte kräver konfirmering. Ingen uppenbar skillnad i resultat kunde dock ses mellan laboratoriér som konfirmerade och de som inte gjorde det. De laboratoriér som utförde konfirmering angav vanligen att denna bestod i test för produktion av gas eller indol.

Liksom vid tidigare kompetensprovningar fanns det för analysen av *E. coli* flera substrat som endast användes av ett mindre antal laboratoriér. Dessa har grupperats tillsammans i gruppen Övriga. Resultaten för de olika substratgrupperna var dock sammantaget väldigt lika. Det enda som kunde noteras var att medelvärdet för TBX var något lägre jämfört med övriga substrat. Detta har även observerats vid flera tidigare kompetensprovningar och får därför anses vara normalt.

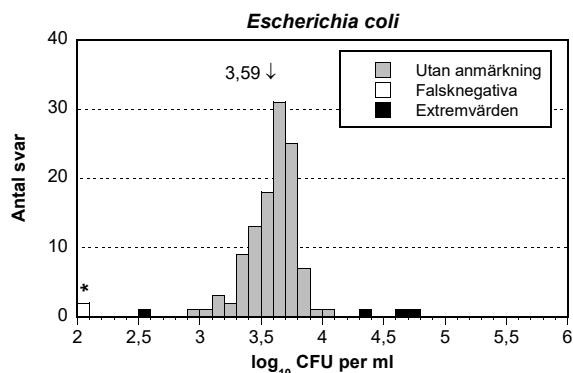
Inkubering skedde något oftare vid 41,5-44 °C (56 %) än vid 35-37 °C (42 %). Bland de laboratoriér som inkuberade vid den högre temperaturen rapporterades totalt sju extremvärden och falska resultat, medan de som inkuberade vid den lägre temperaturen endast rapporterade två falska resultat. Medelvärdena för de båda temperaturgrupperna skiljde sig däremot inte åt.

Resultat från analys av Escherichia coli

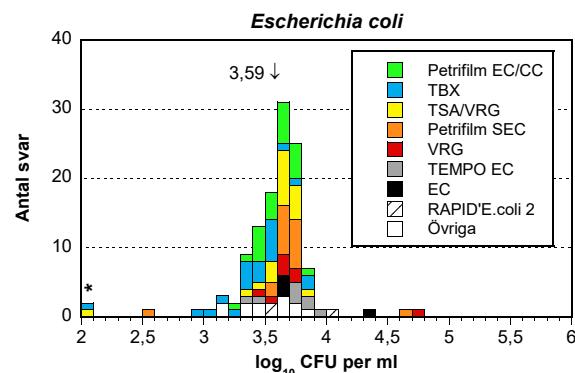
Substrat	Prov A					Prov B					Prov C										
	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>
Alla svar	119	117	-	-	2	-	-	119	119	-	-	0	-	-	118	112	3,59	0,19	2	1	3
Petrifilm EC/CC	23	22	-	-	1	-	-	23	23	-	-	0	-	-	23	23	3,58	0,14	0	0	0
TBX	23	22	-	-	1	-	-	23	23	-	-	0	-	-	22	21	3,46	0,24	1	0	0
TSA/VRG	20	20	-	-	0	-	-	20	20	-	-	0	-	-	20	19	3,63	0,12	1	0	0
Petrifilm SEC	17	17	-	-	0	-	-	17	17	-	-	0	-	-	18	16	3,68	0,08	0	1	1
VRG	8	8	-	-	0	-	-	8	8	-	-	0	-	-	8	7	3,66	0,11	0	0	1
TEMPO EC	8	8	-	-	0	-	-	8	8	-	-	0	-	-	8	8	3,69	0,21	0	0	0
EC	5	5	-	-	0	-	-	5	5	-	-	0	-	-	4	3	-	-	0	0	1
RAPID'E.coli 2	3	3	-	-	0	-	-	3	3	-	-	0	-	-	3	3	-	-	0	0	0
Övriga*	12	12	-	-	0	-	-	12	12	-	-	0	-	-	12	12	3,52	0,24	0	0	0

* I gruppen Övriga ingick bland annat Brilliance EC/CC, Compact Dry EC/CC, CHROMID® och Rebecka agar.

C



C



Presumtiv *Bacillus cereus*

Prov A

Ingen målorganism för analysen fanns i provet. Stammen av *A. hydrophila* är falskpositiv för analysen och förekom med cirka \log_{10} 3,2 cfu ml⁻¹ i provet. Vid Livsmedelsverkets kvalitetskontroll bildade denna gråvita kolonier omgivna av hämolyszon på BA. Stammen kunde dock uteslutas efter konfirmering, eftersom den saknar utfällningszon på BcsA. Även stammen av *S. aureus* kan eventuellt växa fram med atypiska kolonier på BA och BcsA.

Det rapporterades sex falskpositiva resultat. Fem av dessa rapporterades av laboratorier som följde NMKL 67, men som inte ser ut att ha utfört någon konfirmering, något som ska utföras enligt metoden.

Prov B

Stammen av *B. cereus* var målorganism och förekom med cirka \log_{10} 4,1 cfu ml⁻¹ i provet. På BA växer denna fram med typiska kolonier med hämolyszon. På BcsA växer den fram med typiska blå kolonier omgivna av utfällningszon.

Det rapporterades två låga och ett högt extremvärde, samt ett falsknegativt resultat.

Prov C

Stammen av *B. cereus* (ej identisk med den i prov B) var målorganism, men även stammarna av *E. coli*, *L. plantarum* och *S. xylosus* som finns i provet kan växa fram på BA. Stammen av *B. cereus* förekom med cirka $\log_{10} 4,6$ cfu ml⁻¹ i provet. Vid Livsmedelsverkets kvalitetskontroll växte den fram på BA med typiska kolonier omgivna om hämolyszon. På BcsA växte den fram med typiska blå kolonier omgivna av utfällningszon.

Det rapporterades fyra låga och ett högt extremvärde, samt 13 falsknegativa resultat. De falsknegativa resultaten fördelade sig förhållandevis jämnt mellan de metoder och substrat som användes, men en överrepresentation kunde skönjas för laboratorier som angivit att de endast inkuberat på BcsA, samt laboratorier som använt Compact Dry X-BC.

Allmänt om analyserna

De flesta laboratorier följde antingen NMKL 67:2010 (54 %) eller ISO 7932:2004 (23 %), vilka skiljer sig något åt. NMKL 67:2010 baseras på odling på BA och konfirmering sker genom utstryk på antingen BcsA eller Cereus-Ident-Agar. På BA växer *B. cereus* fram med stora oregelbundna gråa kolonier, omgivna av en kraftig hämolyszon. På BcsA växer presumtiva *B. cereus* fram som blåaktiga kolonier, omgivna av en blå utfällningszon till följd av enzymet lecitinas aktivitet på äggula i substratet. På Cereus-Ident-agar bildar *B. cereus* blå/turkosa kolonier, eventuellt omgivna av en blå ring. Färgen kommer här av att enzymet phosphatidylinositol phospholipase C (PI-PLC) i *B. cereus* klyver det kromogena substratet X-myoinositol-1-fosfat. I jämförelse med NMKL-metoden föreskriver ISO 7932:2004 utstryk på MYP. Där bildar presumtiva *B. cereus* stora rosa kolonier som vanligen är omgivna av en utfällningszon, även här till följd av lecitinas-aktivitet. ISO-metoden konfirmeras genom positivt utslag för hämolysaktivitet på BA.

Förutom BA, BcsA och MYP användes det kromogena mediet CBC av totalt sju laboratorier. Substratet X-Gluc i CBC klyvs här av β -glukuronidas från *B. cereus*, vilket resulterar i vita kolonier med ett blått/grönt centrum. Ytterligare substrat som användes i mindre omfattning var Compact Dry X-BC, TEMPO BC, COMPASS® *Bacillus cereus* agar och BACARA™.

Som vid tidigare kompetensprovningar var rapporteringen av metoduppgifter för *B. cereus* i flera fall otydlig. Som exempel har flera laboratorier angett kombinationer av metod/substrat som inte stämmer överens. Generellt redovisas därför här de metoder och substrat som angetts av laboratoriet, oavsett om dessa stämmer överens inbördes eller inte. Substrat som endast angivits som ”kromogent substrat” har lagts till gruppen Övriga. Trots dessa oklarheter i metodrapporteringen är resultat och medelvärdet för de olika substrat- och metodgrupperna väldigt lika. Undantaget var tillsynes låga resultat för Compact Dry X-BC i prov B och C. För prov C rapporterade också två av de fem laboratorier som använde detta substrat falsknegativt resultat.

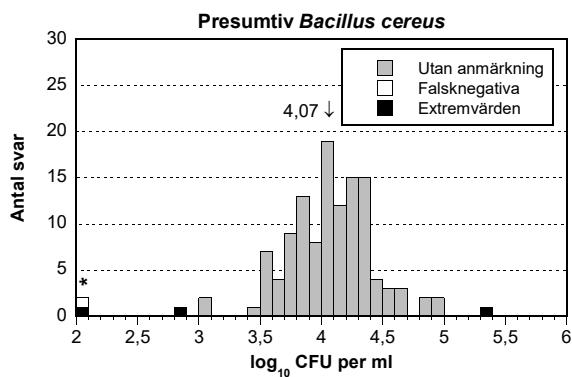
För ISO-metoden publicerades nyligen ett tillägg (ISO 7932:2004/Amd 1:2020) vilket innehåller valfria test bland annat för PCR-detektion av *cytK*-gener. Det kan också nämnas att NMKL 67 är planerad att genomgå en mindre revidering.

Resultat från analys av presumtiv *Bacillus cereus*

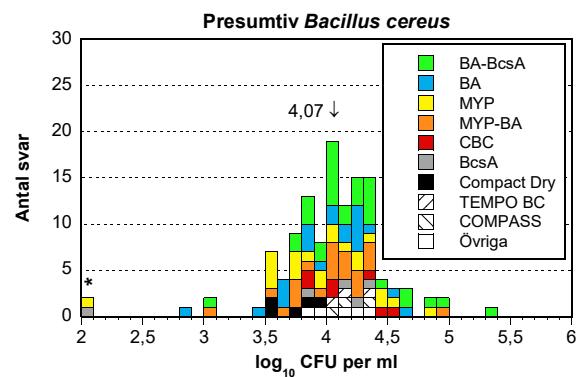
Substrat	Prov A					Prov B					Prov C										
	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>
Alla svar	120	114	-	-	6	-	-	123	119	4,07	0,33	1	2	1	120	102	4,29	0,27	13	4	1
BA-BcsA	31	31	-	-	0	-	-	31	30	4,15	0,36	0	0	1	29	26	4,38	0,21	2	0	1
BA	21	16	-	-	5	-	-	21	20	4,05	0,31	0	1	0	21	18	4,35	0,27	2	1	0
MYP	19	19	-	-	0	-	-	21	20	4,02	0,37	0	1	0	20	16	4,14	0,33	2	2	0
MYP-BA	22	22	-	-	0	-	-	22	22	4,02	0,36	0	0	0	22	22	4,38	0,20	0	0	0
CBC	6	6	-	-	0	-	-	7	7	4,16	0,27	0	0	0	7	7	4,33	0,12	0	0	0
BcsA	5	5	-	-	0	-	-	5	4	-	-	1	0	0	5	1	-	-	4	0	0
Compact Dry X-BC	5	4	-	-	1	-	-	5	5	-	-	0	0	0	5	2	-	-	2	1	0
TEMPO BC	3	3	-	-	0	-	-	3	3	-	-	0	0	0	3	3	-	-	0	0	0
COMPASS B. cereus	3	3	-	-	0	-	-	3	3	-	-	0	0	0	3	3	-	-	0	0	0
Övriga*	5	5	-	-	0	-	-	5	5	-	-	0	0	0	5	4	-	-	1	0	0

* I gruppen Övriga ingår BACARA™

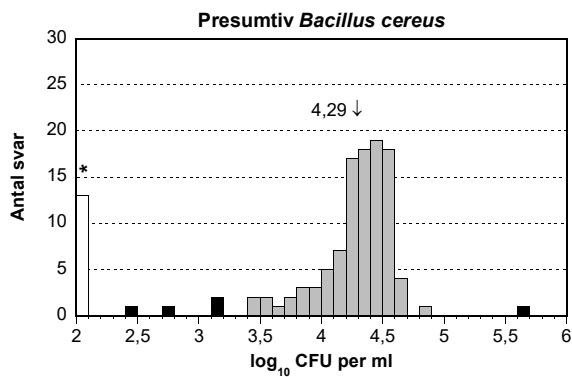
B



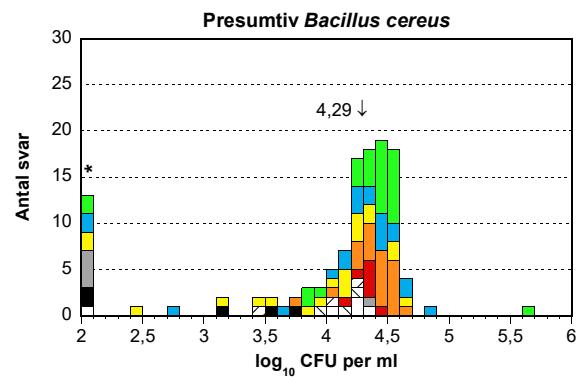
B



C



C



Koagulaspositiva stafylokocker

Prov A

Stammen av *S. aureus* var målorganism för analysen och förekom med cirka \log_{10} 4,2 cfu ml⁻¹ i provet. Vid Livsmedelsverkets kontroll växte denna fram på RPFA med typiska mörkgrå kolonier omgivna av koagulaszon. Stammen av *S. warneri* som också fanns i provet är falskpositiv för analysen. Den är koagulasnegativ och växte vid Livsmedelsverkets analyser fram på RPFA med atypiska blågrå kolonier utan koagulaszon.

Det rapporterades fyra låga och 22 höga extremvärden, samt tre falsknegativa resultat.

De höga extremvärdena beror sannolikt på detektion av *S. warneri*. Resultaten fördelade sig med två toppar, en huvudtopp motsvarande koncentrationen för *S. aureus* i provet (cirka \log_{10} 4,1 cfu ml⁻¹) och en mindre topp motsvarande *S. warneri* (cirka \log_{10} 4,7 cfu ml⁻¹).

De höga extremvärdena kunde nästan uteslutande kopplas till användning av BP. Eftersom koagulasaktiviteten inte testas på detta substrat behöver konfirmaции utföras. Totalt 20 av de 22 laboratorier som rapporterade höga extremvärden angav också att de utförde någon form av konfirmaции. Tio av dessa angav att denna bestod av rörkoagulastest, men även latexagglutinationstest var förhållandevis vanligt (fyra laboratorier).

Prov B

Ingen målorganism för analysen fanns i provet.

Det rapporterades sju falskpositiva resultat. De rapporterade koncentrationerna varierar mellan \log_{10} 1,78 och \log_{10} 4,57 cfu ml⁻¹, varför det är svårt att säga vilken/vilka mikroorganismer som räknats.

Prov C

Ingen målorganism fanns i provet. Den koagulasnegativa stammen av *S. xylosus* förekom dock som falskpositiv för analysen, med en koncentration av cirka \log_{10} 3,3 cfu ml⁻¹ i provet. Vid Livsmedelsverkets kvalitetskontroll växte denna fram på RPFA med atypiska kolonier utan koagulaszon.

Det rapporterades tolv falskpositiva resultat. Tre av dessa kom från laboratorier som rapporterade falskpositivt resultat även för prov B. De rapporterade koncentrationerna antyder att det är *S. xylosus* som räknats. De tolv felaktiga resultaten beror därför sannolikt på misslyckad eller utebliven (fyra laboratorier) konfirmaции.

Allmänt om analyserna

De flesta laboratorier (44 %) använde NMKL 66:2009. Denna följdes av 3M™ Petrifilm™ (14 %), ISO 6888-1:1999 (16 %) och ISO 6888-2:1999 (6 %). Både ISO 6888-1:1999 (baserad på BP) och ISO 6888-2:1999 (baserad på RPFA) granskades av ISO senast år 2015 och är fortfarande aktuella. För ISO 6888-1 har dock publicerats ett tillägg med alternativ konfirmaции i RPFA (ISO 6888-1:1999/Amd 2:2018). Tre av de 18 laboratorier som följde ISO 6888-1 angav att man följde detta tillägg.

NMKL 66:2009 föreskriver inkubering på BP och/eller RPFA. Konfirmaции sker genom positivt utslag på koagulastest. Vid användning av RPFA testas istället koagulasaktiviteten direkt i substratet. Som jämförelse stipulerar ISO 6888-1 utstryk på

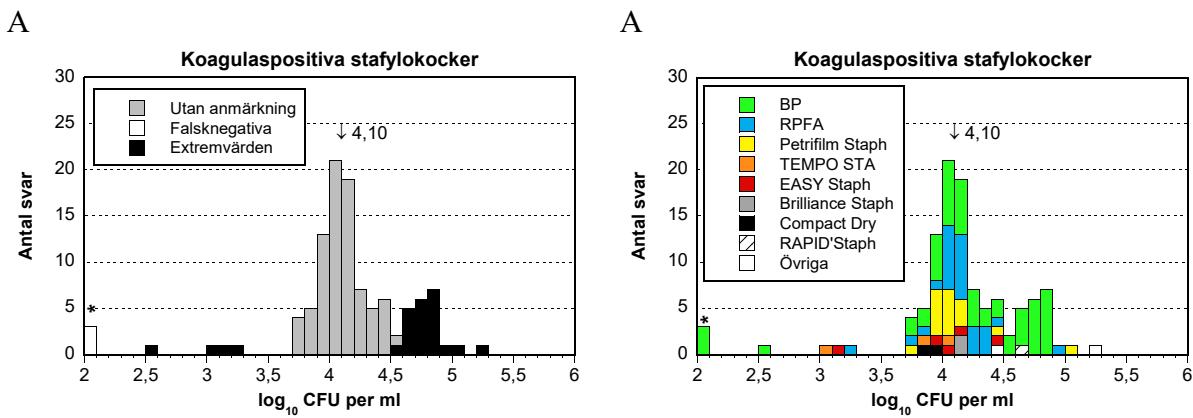
BP följt av konfirmering med koagulastest, medan ISO 6888-2 anger ingjutning i RPFA. På BP bildar *S. aureus* karakteristiska konkava, blanka kolonier, som har en grå/svart färg till följd av reduktion av tellurit i substratet. Kolonierna är vanligen omgivna av en klar zon, till följd av proteolys av äggulan i substratet (lecitinaktivitet). Det kan även bildas en opak ring närmast kolonierna, genom utfällning orsakad av lipasaktivitet. Petrifilm Staph är baserad på en modifierad Baird-Parker-agar. Detta substrat innehåller även en kromogen indikator som gör att *S. aureus* växer fram som röda/lila kolonier.

Resultaten var sammantaget väldigt lika för de vanligaste substraten BP, RPFA och Petrifilm Staph, i alla tre proven. Undantaget var de höga extremvärden för prov A som rapporterades huvudsakligen vid användning av BP. Något lägre medelvärdet har vid tidigare kompetensprovningar ibland setts vid användning av Petrifilm Staph, men någon sådan tydligt skillnad kunde inte ses denna gång. Flera substrat användes av ett mindre antal laboratorier, vilket gör dem svåra att utvärdera. Bland dessa fanns EASY Staph®, TEMPO STA, Brilliance™ Staph 24, Compact Dry™ X-SA och RAPID'Staph.

Totalt 72 % av laboratorierna angav att de utförde någon form av konfirmering, vilken vanligen bestod av ett rörkoagulastest. Traditionellt konfirmeras koagulaspositiva stafylokocker genom detektion av extracellulärt eller bundet koagulas (koagulastest i rör respektive på objektglas). Det är även vanligt att utföra konfirmering med latexagglutinationstest. Sådant test baseras på latexpartiklar till vilka fästs antingen fibrinogen, och/eller IgG som binder till protein A på bakteriecellytan. En del av dessa test använder även antikroppar specifika mot polysackarider på bakteriecellytan. Konfirmering med Petrifilm Disk bygger på detektion av extracellulärt DNAs, vilket produceras av majoriteten av koagulaspositiva *S. aureus*, men även av *S. intermedius* och *S. hyicus*. Toluidinblå O i diskarna visualiseras DNAs-aktivitet som rosa zoner kring kolonierna.

Resultat från analys av koagulaspositiva stafylokocker

Substrat	Prov A						Prov B						Prov C								
	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>
Alla svar	110	81	4,10	0,18	3	4	22	109	102	-	-	7	-	-	109	97	-	-	12	-	-
BP	53	31	4,11	0,19	3	1	18	53	51	-	-	2	-	-	53	46	-	-	7	-	-
RPFA	26	24	4,12	0,16	0	1	1	26	24	-	-	2	-	-	26	25	-	-	1	-	-
Petrifilm Staph	16	15	4,03	0,16	0	0	1	16	16	-	-	0	-	-	16	14	-	-	2	-	-
EASY Staph	5	4	-	-	0	1	0	5	4	-	-	1	-	-	5	4	-	-	1	-	-
TEMPO STA	3	2	-	-	0	1	0	3	3	-	-	0	-	-	3	3	-	-	0	-	-
Brilliance Staph 24	2	2	-	-	0	0	0	2	2	-	-	0	-	-	2	2	-	-	0	-	-
Compact Dry X-SA	2	2	-	-	0	0	0	2	0	-	-	2	-	-	2	2	-	-	0	-	-
RAPID'Staph	1	0	-	-	0	0	1	1	1	-	-	0	-	-	1	0	-	-	1	-	-
Övriga	2	1	-	-	0	0	1	1	1	-	-	0	-	-	1	1	-	-	0	-	-



Mjölkssyrabakterier

Prov A

Ingen målorganism för analysen fanns i provet.

Det rapporterades 15 falskpositiva resultat. De rapporterade koncentrationerna antyder att åtminstone hälften av dessa beror på detektion av antingen *S. aureus* och/eller *S. warneri*, vilka eventuellt kan växa fram med små kolonier på MRS och MRS-aB.

Flertalet av de falskpositiva resultaten rapporterades av laboratorier som inkuberade på MRS eller MRS-aB. Som jämförelse rapporterades inga falskpositiva resultat av de laboratorier som inkuberade på Rogosa, eller som använde TEMPO LAB.

Prov B

Ingen målorganism för analysen fanns i provet.

Det rapporterades 25 falskpositiva resultat. Dessa fördelade sig förhållandevis jämnt i ett intervall från $\log_{10} 0,18 \text{ cfu ml}^{-1}$ till $\log_{10} 5,18 \text{ cfu ml}^{-1}$, varför det är svårt att hitta en entydig förklaring till dem. Vid Livsmedelsverkets kontroll av provblandningen observerades inte någon växt på MRS-aB.

Konfirmering ser inte ut att ha haft någon inverkan på utfallet. Däremot rapporterades precis som för prov A flertalet av de falskpositiva resultaten av laboratorier som inkuberade på MRS eller MRS-aB. Inga falskpositiva resultat rapporterades däremot av de laboratorier som inkuberade på Rogosa, eller som använde TEMPO LAB.

Prov C

Stammen av *L. plantarum* var målorganism och förekom med en koncentration av cirka $\log_{10} 3,6 \text{ cfu ml}^{-1}$ i provet. Vid Livsmedelsverkets kvalitetskontroll växte denna fram på MRS-aB med typiska vita kolonier. Stammen är grampositiv och katalasnegativ. Stammarna av *B. cereus* och *S. xylosus* som finns i provet kan eventuellt växa fram med små kolonier på MRS-aB. De kan dock uteslutas efter konfirmering med katalastest.

Det rapporterades ett högt extremvärde och två falsknegativa resultat.

Allmänt om analyserna

Huvuddelen av laboratorierna angav att de följde NMKL 140, antingen NMKL 140:2007 (39 %), eller den äldre NMKL 140:1991 (13 %). Den äldre metoden föreskriver utspridning på MRS-S, medan den nyare metoden föreskriver MRS-aB. ISO

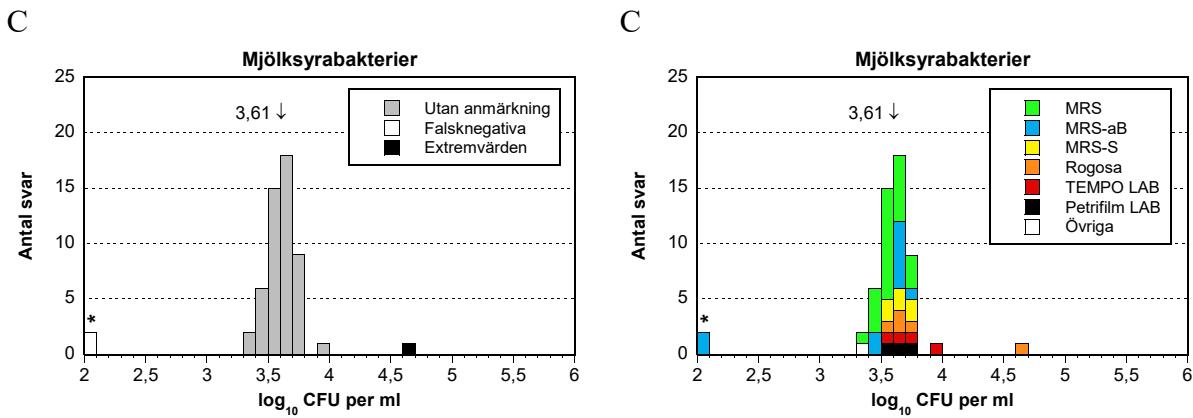
15214:1998, vilken istället föreskriver ingjutning i MRS, användes av 13 % av laboratorierna. På både MRS-S och MRS-aB växer mjölkssyrafärgade bakterier normalt fram som 1,5-2 mm stora grå-vita kolonier. På Petrifilm LAB växer mjölkssyrafärgade bakterier fram med röda kolonier. Plattorna möjliggör även distinktion mellan gasbildande (heterofermentativa) och icke-gasbildande (homofermentativa) mjölkssyrafärgade bakterier. ISO 15214:1998 granskades av ISO senast år 2015, men granskningen föranledde inga förändringar. NMKL 140 är ändå upptagen för revidering, bland annat för översyn av konfirmeringsstegen. Två laboratorier angav ISO 7889 / IDF 117, vilket är en metod för karakteristiska mikroorganismer i yoghurt vid 37°C.

Mjölkssyrafärgade bakterier utgör en heterogen grupp mikroorganismer, och växer därför olika bra beroende på substrat, pH och inkuberingsförhållanden. Till exempel är MRS-aB (pH 6,2) ett relativt oselektivt substrat som tillåter ett bredare spektrum av mjölkssyrafärgade bakterier att växa fram. Detta kan dock eventuellt ge upphov till fler falskpositiva jämfört med det mer sura substratet MRS-S (pH 5,7). Dessa skillnader mellan substrat och inkuberingsförhållanden gör det viktigt att konfirmera kolonierna vid osäkerhet, speciellt vid användning av mindre selektiva substrat. Möjligen kan detta ha bidragit till de falskpositiva resultaten vid användning av MRS-aB i prov A och B. Här kan också noteras att två av de tre laboratorier som använde Petrifilm LAB rapporterade falskpositivt resultat för både prov A och prov B.

Både ISO- och NMKL-metoderna rekommenderar att i tveksamma fall konfirmera kolonierna genom gramfärgning och/eller med katalastest. Mjölkssyrafärgade bakterier är grampositiva och vanligen katalasnegativa. Konfirmaции i någon form utfördes i denna kompetensprovning av drygt hälften (54 %) av laboratorierna. Oftast bestod denna av ett katalastest, men även gramfärgning var vanligt förekommande. Som helhet verkar utförande av konfirmaции inte haft någon avgörande skillnad på resultatet. Resultaten med anmärkning fördelar sig även förhållandevis proportionellt mellan laboratorier som konfirmerade och de som inte gjorde det, för samtliga tre prov.

Resultat från analys av mjölkssyrafärgade bakterier

Substrat	Prov A						Prov B						Prov C								
	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>
Alla svar	54	39	-	-	15	-	-	54	29	-	-	25	-	-	54	51	3,61	0,11	2	0	1
MRS	24	17	-	-	7	-	-	24	11	-	-	13	-	-	24	24	3,58	0,10	0	0	0
MRS-aB	11	5	-	-	6	-	-	11	4	-	-	7	-	-	11	9	3,62	0,11	2	0	0
MRS-S	6	6	-	-	0	-	-	6	4	-	-	2	-	-	6	6	3,64	0,07	0	0	0
Rogosa	5	5	-	-	0	-	-	5	5	-	-	0	-	-	5	4	-	-	0	0	1
TEMPO LAB	4	4	-	-	0	-	-	4	4	-	-	0	-	-	4	4	-	-	0	0	0
Petrifilm LAB	3	1	-	-	2	-	-	3	1	-	-	2	-	-	3	3	-	-	0	0	0
Övriga	1	1	-	-	0	-	-	1	0	-	-	1	-	-	1	1	-	-	0	0	0



Clostridium perfringens

Prov A

Stammen av *C. perfringens* var målorganism och förekom med en koncentration av cirka $\log_{10} 3,1$ cfu ml^{-1} i provet. Vid Livsmedelsverkets kontroll växte denna fram med svarta kolonier på TSC. Stammen är orörlig och jäser laktos.

Det rapporterades tre låga och ett högt extremvärde, samt tre falsknegativa resultat.

Prov B

Stammen av *C. perfringens* (identisk med den i prov A) var målorganism och förekom med en koncentration av cirka $\log_{10} 2,6$ cfu ml^{-1} i provet.

Det rapporterades tre falsknegativa resultat.

Prov C

Ingen målorganism för analysen fanns i provet.

Det rapporterades ett falkpositivt resultat.

Allmänt om analyserna

Majoriteten av laboratorierna (67 %) följde NMKL 95:2009. Ett laboratorium angav den äldre NMKL 95:2006. ISO 7937:2004 följdes av 25 % av laboratorierna. Ytterligare ett laboratorium angav att de analyserade enligt NMKL 56:2015 (Sulfitreducerande klostridier). Denna metod inkluderar detektion av *C. perfringens* genom en hänvisning till konfirmeringstegen i NMKL 95. ISO 7937:2004 granskades av ISO senast år 2015 och är fortfarande aktuell. Den är dock tänkt att framöver ersättas av ISO 15213-2 ("Enumeration of *Clostridium perfringens* by colony-count technique"), vilken är under framtagande. Inga uppenbara skillnader i resultaten kunde ses mellan de olika metoder som användes.

ISO 7937:2004 föreskriver ingjutning i TSC, medan NMKL 95 istället föreskriver ytspridning på mCP och/eller ingjutning i TSC. Majoriteten av laboratorierna (90 %) angav här att de använde TSC. På TSC bildar *C. perfringens* svarta kolonier, efter anaerob inkubering vid 37 °C. Förutom TSC användes mCP, SC, JSA och SPS av ett laboratorium vardera. Det låga antalet användare av dessa substrat gör att det är svårt att göra jämförelser med TSC. Laboratoriet som inkuberade på SPS rapporterade visserligen falsknegativt för prov A och falkpositivt för prov C, men detta beror

sannolikt på sammanblandning av dessa prov vid analysen. Det kan dock i sammanhanget nämnas ett par studier som rekommenderat TSC för analyser av *C. perfringens* i livsmedel (2, 3).

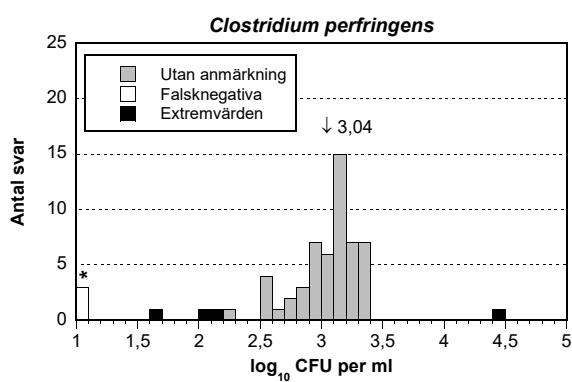
Med NMKL 95:2009 konfirmeras misstänkta och typiska kolonier genom rörlighetstest och test av laktosfermentering. *C. perfringens* är orörlig och bildar syra och gas till följd av laktosfermentering. Metoden för konfirmation är liknande i ISO 7937:2004. *C. perfringens* kan också konfirmeras genom att den vid anaerob inkubering på BA bildar dubbla hämolyszoner. Totalt angav 93 % av laboratorierna att de utförde någon form av konfirmation. Vanliga förekommende metoder för denna var rörlighetstest, test av laktosfermentering, test för hämolys på BA, samt frånvaro av växt i aerob miljö.

Majoriteten av laboratorierna (93 %) inkuberade vid 37 °C. Tre laboratorier (5 %) inkuberade vid 44 °C och ett laboratorium vid 30 °C. *C. perfringens* växer normalt vid såväl 37 °C som vid 44 °C och även om antalet som inkuberade vid 44 °C var lågt, ser temperaturen inte ut att haft en påverkan på utfallet.

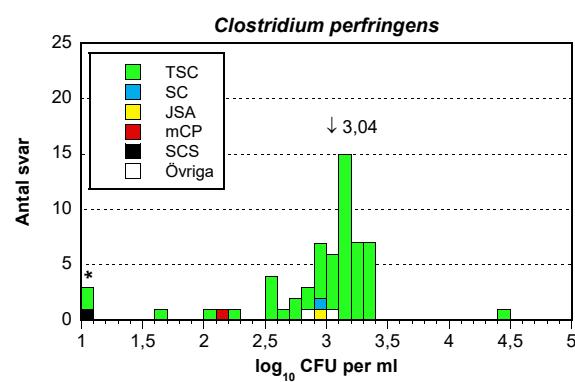
Resultat från analys av Clostridium perfringens

Substrat	Prov A					Prov B					Prov C				
	N	n	m	s	F < >	N	n	m	s	F < >	N	n	m	s	F < >
Alla svar	60	53	3,04	0,24	3 3 1	60	57	2,53	0,33	3 0 0	58	57	-	-	1 - -
TSC	54	49	3,05	0,25	2 2 1	54	51	2,55	0,31	3 0 0	52	52	-	-	0 - -
SC	1	1	-	-	0 0 0	1	1	-	-	0 0 0	1	1	-	-	0 - -
JSA	1	1	-	-	0 0 0	1	1	-	-	0 0 0	1	1	-	-	0 - -
mCP	1	0	-	-	0 1 0	1	1	-	-	0 0 0	1	1	-	-	0 - -
SPS	1	0	-	-	1 0 0	1	1	-	-	0 0 0	1	0	-	-	1 - -
Övriga	2	2	-	-	0 0 0	2	2	-	-	0 0 0	2	2	-	-	0 - -

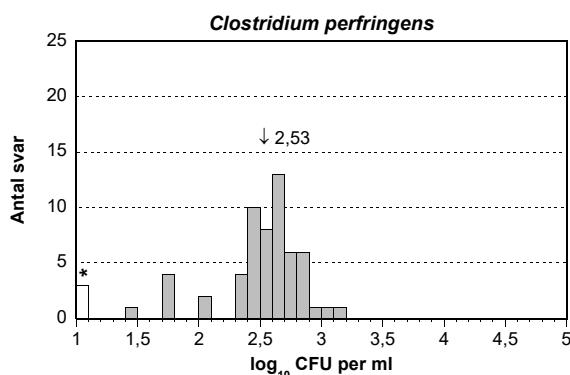
A



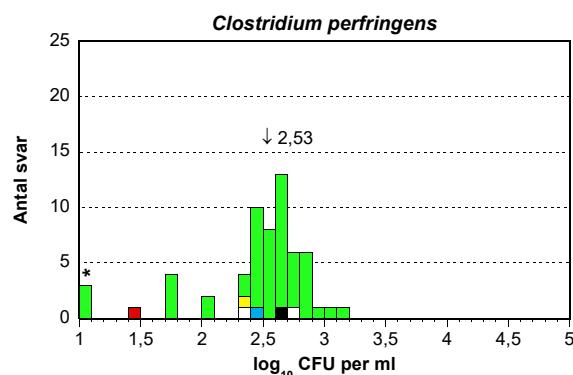
A



B



B



Anaeroba sulfitreducerande bakterier

Prov A

Stammen av *C. perfringens* var målorganism och förekom med en koncentration av cirka $\log_{10} 3,1$ cfu ml^{-1} i provet. Vid Livsmedelsverkets kontroll växte denna fram med svarta kolonier på JSA. Svärtningen var något mindre tydlig efter 48 timmar, jämfört med efter 24 timmar. Låga resultat kan därför bero på om avläsning endast gjorts efter 48 timmar.

Det rapporterades ett lågt och två höga extremvärden, samt ett falsknegativt resultat.

Prov B

Stammen av *C. perfringens* (identisk med den i prov A) var målorganism och förekom med en koncentration av cirka $\log_{10} 2,6$ cfu ml^{-1} i provet.

Det rapporterades ett lågt och ett högt extremvärde, samt två falsknegativa resultat.

Prov C

Ingen målorganism för analysen fanns i provet.

Det rapporterades inga falskpositiva resultat.

Allmänt om analyserna

Som tidigare följde majoriteten av laboratorierna någon version av NMKL 56. Andelen användare av den nya NMKL 56:2015 var något högre än tidigare och metoden följdes nu av totalt 16 % av laboratorierna. Flertalet angav dock fortfarande antingen NMKL 56:2008 (47 %), eller den betydligt äldre NMKL 56:1994 (6 %). ISO 15213:2003 följdes som jämförelse av 15 % av laboratorierna. Denna granskades av ISO senast år 2015 och är fortfarande aktuell. Den är dock tänkt att framöver ersättas av ISO 15213-1 ("Enumeration of sulphite-reducing *Clostridium* spp. by colony-count technique"), vilken är under framtagande. Tre laboratorier följde ISO 7937:2004 ("Horizontal method for the enumeration of *Clostridium perfringens*"), vilken är tänkt att ersättas av den kommande ISO 15213-2 ("Enumeration of *Clostridium perfringens* by colony-count technique"). Inga uppenbara skillnader i resultat mellan de olika metoderna kunde dock identifieras.

Både NMKL 56:2015 och ISO 15213:2003 föreskriver ingjutning i JSA, vilket också var det mest använda substratet. På JSA räknas svarta kolonier (eventuellt omgivna av

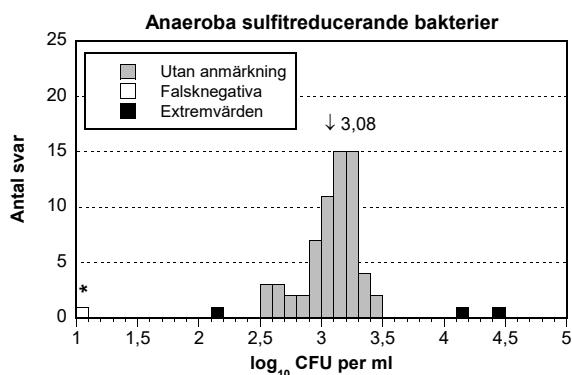
en svart zon) som sulfitreducerande bakterier. Den svarta färgen kommer från att bildad H₂S reagerar med Fe³⁺ i substratet, vilket resulterar i utfällning av svart järnsulfid. Växt av anaeroba bakterier som endast producerar väte (och inte H₂S) kan ibland orsaka en diffus och ospecifik svärtring av substratet.

Förutom JSA rapporterades användning av TSC, SFP, PAB och TS. Dessa substrat används vanligen vid identifiering av *C. perfringens*, och det bör därför nämnas att för det syftet bör kolonierna även konfirmeras enligt metoden i till exempel NMKL 95. Användning av dessa substrat föranledde här inte några uppenbara problem. Användning av TSC gav visserligen relativt sett många extremvärden och falsknegativa resultat för prov A och B, men antalet användare är samtidigt lågt, vilket gör att det inte går att utesluta att detta beror på en ren slump.

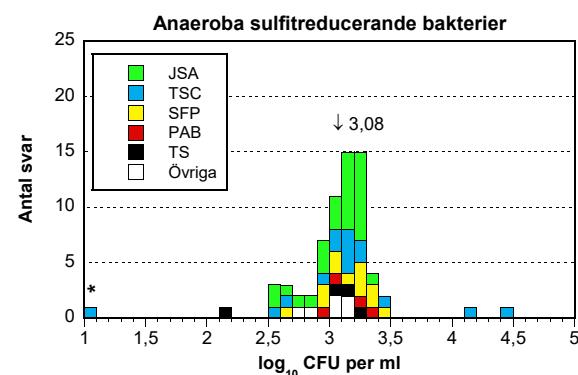
Resultat från analys av anaeroba sulfitreducerande bakterier

Substrat	Prov A						Prov B						Prov C					
	N	n	m	s	F	< >	N	n	m	s	F	< >	N	n	m	s	F	< >
Alla svar	68	64	3,08	0,21	1	1	2	68	64	2,50	0,28	2	1	1	69	69	-	-
JSA	27	27	3,05	0,22	0	0	0	27	27	2,44	0,26	0	0	0	28	28	-	-
TSC	15	12	3,07	0,25	1	0	2	15	12	2,55	0,41	1	1	1	15	15	-	-
SFP	12	12	3,14	0,21	0	0	0	12	12	2,59	0,18	0	0	0	12	12	-	-
PAB	4	4	-	-	0	0	0	4	3	-	-	1	0	0	4	4	-	-
TS	4	3	-	-	0	1	0	4	4	-	-	0	0	0	4	4	-	-
Övriga	6	6	3,01	0,15	0	0	0	6	6	2,50	0,16	0	0	0	6	6	-	-

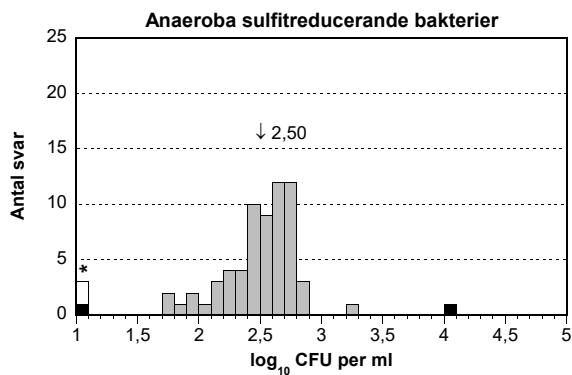
A



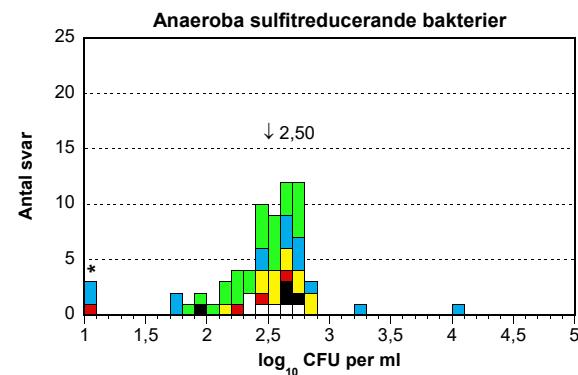
A



B



B



Aeroba mikroorganismer i fiskprodukter, 20-25 °C

Prov A

Stammarna av *A. hydrophila*, *S. warneri*, *S. aureus* och *S. putrefaciens* var målorganismer.

Det rapporterades inga extremvärden och inga falsknegativa resultat.

Prov B

Samtliga stammar i provet var målorganismer.

Det rapporterades inga extremvärden och inga falsknegativa resultat.

Prov C

Stammarna av *B. cereus*, *L. plantarum*, *E. coli* och *S. xylosus* var målorganismer.

Det rapporterades ett lågt extremvärde.

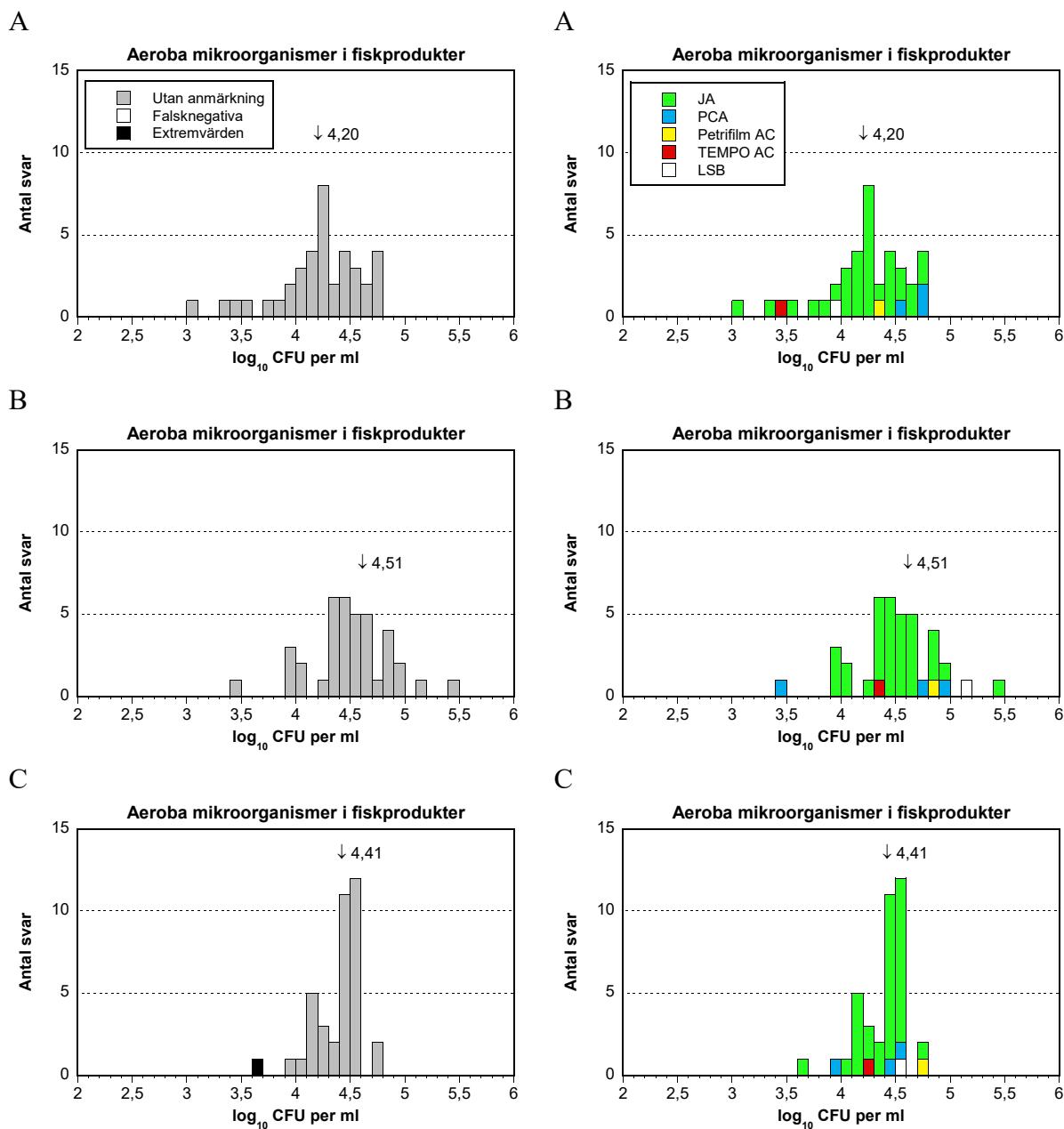
Allmänt om analyserna

Majoriteten av laboratorierna (84 %) följde metoden för aeroba mikroorganismer och förruttnelsebakterier i fisk och fiskprodukter, NMKL 184:2006. Metoden föreskriver ingjutning i JA, vilket också användes av majoriteten av laboratorierna (84 %). Två laboratorier följde NMKL 86 ("Aeroba mikroorganismer i livsmedel") och inkuberade därvid på PCA. Denna metod är visserligen anpassad för alla typer av livsmedel, men hänvisar samtidigt till NMKL 184:2006 för analys av fisk och fiskprodukter. Ett laboratorium följde ISO 4833-1:2013 ("Aeroba mikroorganismer"). Ytterligare ett laboratorium följde NMKL 96:2003, vilken för totalantal aeroba mikroorganismer använder samma princip som NMKL 184:2006. Laboratoriet inkuberade dock i LSB, vilket inte är korrekt. NMKL 96:2003 har också ersatts av NMKL 96:2009 ("Koliforma bakterier, termotoleranta koliforma bakterier och *E. coli*, två MPN-metoder för fisk och skaldjur") och denna hänvisar istället till NMKL 184:2006 för analys av totalantal aeroba mikroorganismer i fisk och skaldjur.

Det kan här nämnas att NMKL 184:2006 också beskriver inkubering på Long & Hammer-agar för detektion av psykrotrofa och värmekänsliga mikroorganismer. Inkubering sker i detta fall vid 15 °C, vilket kan vara fördelaktigt vid analys av färsk fiskfärs och lättkonserverade fiskprodukter.

Resultat från analys av aeroba mikroorganismer i fiskprodukter, 20-25 °C

Substrat	Prov A					Prov B					Prov C										
	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>
Alla svar	38	38	4,20	0,41	0	0	0	38	38	4,51	0,37	0	0	0	38	37	4,41	0,18	0	1	0
JA	32	32	4,18	0,38	0	0	0	32	32	4,49	0,31	0	0	0	32	31	4,41	0,17	0	1	0
PCA	3	3	-	-	0	0	0	3	3	-	-	0	0	0	3	3	-	-	0	0	0
Petrifilm AC	1	1	-	-	0	0	0	1	1	-	-	0	0	0	1	1	-	-	0	0	0
TEMPO AC	1	1	-	-	0	0	0	1	1	-	-	0	0	0	1	1	-	-	0	0	0
LSB	1	1	-	-	0	0	0	1	1	-	-	0	0	0	1	1	-	-	0	0	0



Vätesulfidproducerande bakterier i fiskprodukter

Prov A

Stammen av *S. putrefaciens* var målorganism för analysen. Vid Livsmedelsverkets kontroll växte denna fram med svarta kolonier på JA, och med en koncentration av cirka \log_{10} 4,1 cfu ml⁻¹.

Det rapporterades inga extremvärden och inga falsknegativa resultat.

Prov B

Stammen av *S. putrefaciens* (identisk med den i prov A) var målorganism för analysen. Vid Livsmedelsverkets kontroll växte denna fram på JA med en koncentration på cirka $\log_{10} 3,6 \text{ cfu ml}^{-1}$.

Det rapporterades tre låga extremvärden och tre falsknegativa resultat.

Prov C

Ingen målorganism för analysen fanns i provet. Vid Livsmedelsverkets kvalitetskontroll observerades endast vita kolonier på JA.

Det rapporterades inga falskpositiva resultat.

Allmänt om analyserna

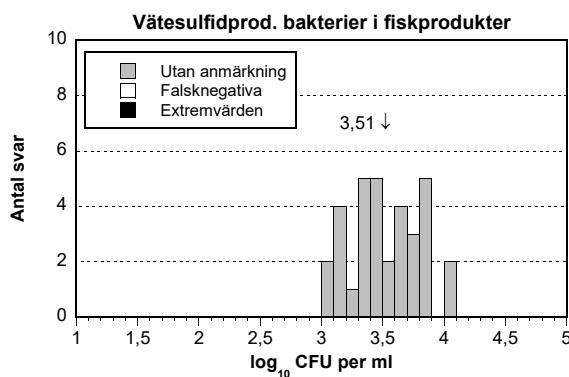
Majoriteten av laboratorierna (97 %) följde metoden för aeroba mikroorganismer och förruttnelsebakterier i fisk och fiskprodukter, NMKL 184:2006. Metoden föreskriver ingjutning i JA, vilket följaktligen också användes av majoriteten av laboratorierna (97 %). Ett laboratorium följde NMKL 96:2003 ("Mikrobiologiska undersökningar i färsk och frysta fiskprodukter"), vilken innefattar analys av vätesulfidproducerande bakterier. Laboratoriet inkuberade dock i LSB, vilket inte är korrekt. NMKL 96:2003 har också ersatts av NMKL 96:2009 som istället hänvisar till NMKL 184:2006 för analys av aeroba mikroorganismer och förruttnelsebakterier i fisk och skaldjur.

Eftersom majoriteten av laboratorierna följde NMKL 184:2006 och inkuberade på järnagar, har inga skillnader i resultat mellan använd metod och substrat identifierats.

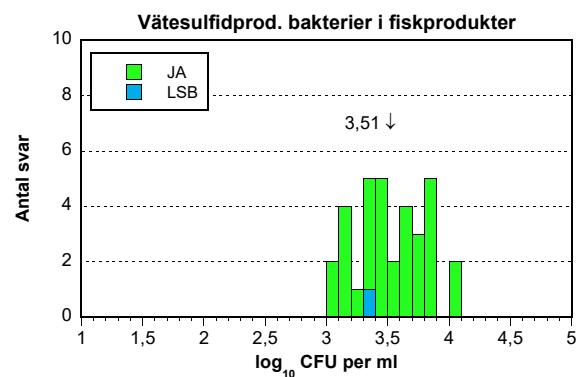
Resultat från analys av vätesulfidproducerande bakterier i fiskprodukter

Substrat	Prov A					Prov B					Prov C										
	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>
Alla svar	33	33	3,51	0,29	0	0	0	32	26	2,83	0,42	3	3	0	32	32	-	-	0	-	-
JA	32	32	3,52	0,29	0	0	0	31	25	2,85	0,42	3	3	0	31	31	-	-	0	-	-
LSB	1	1	-	-	0	0	0	1	1	-	-	0	0	0	1	1	-	-	0	-	-

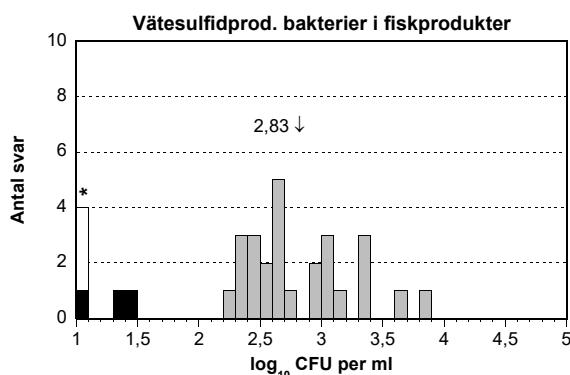
A



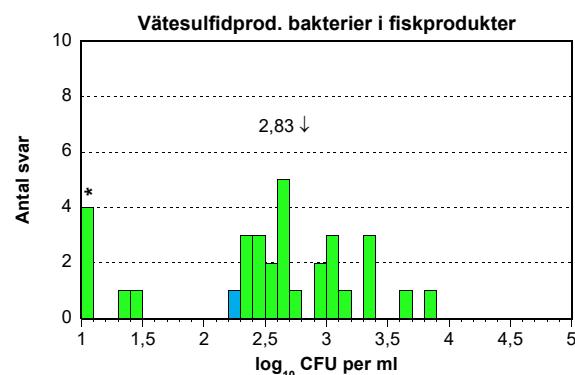
A



B



B



Jäst och mögel

Prov A

Ingen målorganism för analysen fanns i provet, varken för jäst eller för mögel.

Det rapporterades två falskpositiva resultat för analysen av jäst och tre falskpositiva resultat för analysen av mögel.

Prov B

Stammen av *H. uvarum* var målorganism för analysen av jäst och stammen av *A. flavus* för analysen av mögel. De förekom med cirka \log_{10} 2,4 respektive \log_{10} 2,3 cfu ml^{-1} i provet.

För analysen av jäst rapporterades två låga och fem höga extremvärden, samt tre falsknegativa resultat.

För analysen av mögel rapporterades ett lågt och fyra höga extremvärden, samt två falsknegativa resultat.

Prov C

Stammen av *K. marxianus* var målorganism för analysen av jäst och stammen av *C. cladosporioides* för analysen av mögel. De förekom med cirka \log_{10} 2,5 respektive \log_{10} 2,2 cfu ml^{-1} i provet.

Vid Livsmedelsverkets kvalitetskontroll växte *K. marxianus* fram med blanka mjölkvita kolonier på DG18 och med blanka rosa kolonier på DRBC. *C. cladosporioides* växte fram med typiska mörkgröna kolonier på både DG18 och DRBC.

För analysen av jäst rapporterades två låga och sex höga extremvärden, samt ett falsknegativt resultat.

För analysen av mögel rapporterades ett lågt och ett högt extremvärde, samt tio falsknegativa resultat. De falsknegativa resultaten kunde inte uppenbart kopplas till användning av någon specifik metod eller substrat.

Allmänt om analyserna

I princip samma laboratorier analyserade såväl jäst som mögel, och de angav i regel identiska metoder för båda analyserna. Metoderna utgjordes främst av NMKL 98:2005 och ISO 6611:2004 / IDF 94:2004, men även 3M™ Petrifilm™ och ISO 21527-1:2008 / ISO 21527-2:2008 var vanligt förekommande. Två laboratorier angav

att de följde ISO 7954:1987 ("General guidance for enumeration of yeasts and moulds"), vilken har ersatts av ISO 21527-1:2008 och ISO 21527-2:2008.

NMKL 98:2005 föreskriver användning av antingen DRBC, DG18 eller OGYE. ISO 6611:2004 / IDF 94:2004 beskriver bestämning av jäst och mögel i mjölk och mjölkprodukter och baseras på ingjutning i OGYE eller YGC. Med ISO 21527 sker en uppdelning beroende på livsmedlets vattenaktivitet (a_w) och ISO 21527-1:2008 använder därför DRBC medan ISO 21527-2:2008 använder DG18. Generellt rekommenderas DRBC för livsmedel med $a_w > 0,95$ (t.ex. färsk frukt/grönsaker, kött och mjölkprodukter) medan DG18 rekommenderas för livsmedel med $a_w \leq 0,95$ (t.ex. torkad frukt, torkat kött, mjöl och nötter). OGYE rekommenderas om endast jäst ska analyseras.

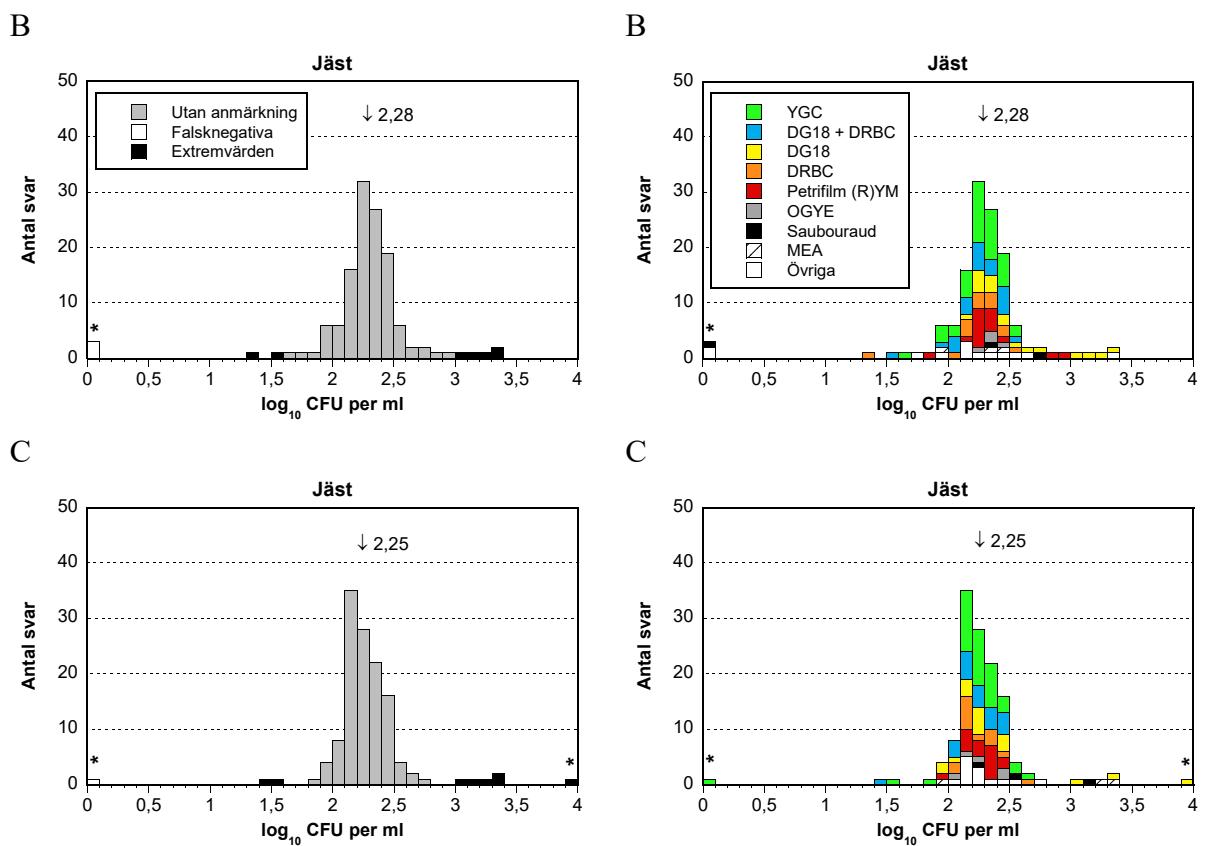
Extremvärden och falska resultat fördelade sig förhållandevis likvärdigt mellan de större metod- och substratgrupperna. Även medelvärdena för de olika grupperna var generellt lika. Flera metoder och substrat användes dock endast av ett mindre antal laboratorier. Det därför svårt att dra några säkra slutsatser om eventuella skillnader i resultat för dessa.

Fyra laboratorier angav att de använde TEMPO YM, ibland i kombination med andra metoder/substrat. Resultaten från dessa laboratorier har inkluderats i utvärderingen, men de har sannolikt ibland fallit ut som extremvärden eller falska resultat endast beroende på att metodiken i TEMPO YM ger ett kombinerat resultat för jäst/mögel. Rapportering av ett kombinerat värde för jäst och mögel kan i nuläget inte hanteras vid analysen av laboratoriernas resultat – och sådana resultat behöver därför utvärderas av laboratorierna själva.

Resultat från analys av jäst

Substrat	Prov A					Prov B					Prov C										
	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>
Alla svar	131	129	-	-	2	-	-	131	121	2,28	0,20	3	2	5	130	121	2,25	0,15	1	2	6
YGC	39	39	-	-	0	-	-	39	39	2,24	0,18	0	0	0	38	36	2,26	0,14	1	1	0
DG18 + DRBC	22	22	-	-	0	-	-	22	21	2,26	0,17	0	1	0	21	20	2,24	0,14	0	1	0
DG18	17	17	-	-	0	-	-	17	13	2,38	0,18	0	0	4	17	14	2,20	0,15	0	0	3
DRBC	14	13	-	-	1	-	-	14	13	2,27	0,14	0	1	0	14	14	2,25	0,16	0	0	0
Petrifilm YM/RYM	16	16	-	-	0	-	-	16	16	2,34	0,24	0	0	0	16	16	2,27	0,14	0	0	0
OGYE	5	5	-	-	0	-	-	4	4	-	-	0	0	0	5	5	-	-	0	0	0
Saubouraud	3	2	-	-	1	-	-	3	2	-	-	1	0	0	3	2	-	-	0	0	1
MEA	3	3	-	-	0	-	-	3	3	-	-	0	0	0	3	1	-	-	0	0	2
Övriga*	12	12	-	-	0	-	-	13	10	2,24	0,27	2	0	1	13	13	2,28	0,20	0	0	0

* Bland övriga substrat fanns bland annat Compact Dry YM, PDA och TEMPO YM.

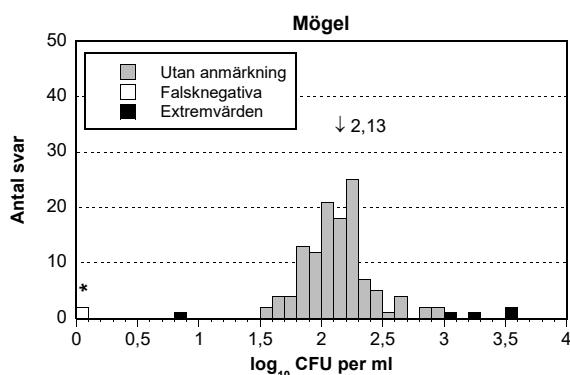


Resultat från analys av mögel

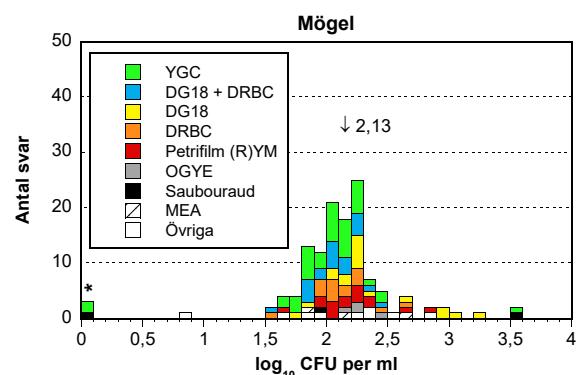
Substrat	Prov A					Prov B					Prov C										
	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>	N	n	m	s	F	<	>
Alla svar	127	124	-	-	3	-	-	127	120	2,13	0,27	2	1	4	125	113	1,84	0,28	10	1	1
YGC	39	39	-	-	0	-	-	39	37	2,04	0,20	1	0	1	38	35	1,72	0,31	3	0	0
DG18 + DRBC	20	20	-	-	0	-	-	21	21	2,07	0,21	0	0	0	19	18	1,72	0,21	1	0	0
DG18	18	18	-	-	0	-	-	18	16	2,26	0,34	0	0	2	18	16	2,01	0,28	1	0	1
DRBC	15	14	-	-	1	-	-	15	15	2,11	0,25	0	0	0	15	15	1,89	0,25	0	0	0
Petrifilm YM/RYM	15	15	-	-	0	-	-	15	15	2,20	0,30	0	0	0	15	13	1,83	0,16	2	0	0
OGYE	5	5	-	-	0	-	-	4	4	-	-	0	0	0	5	5	-	-	0	0	0
Saubouraud	3	2	-	-	1	-	-	3	1	-	-	1	0	1	3	3	-	-	0	0	0
MEA	3	3	-	-	0	-	-	3	3	-	-	0	0	0	3	3	-	-	0	0	0
Övriga*	9	8	-	-	1	-	-	9	8	2,22	0,41	0	1	0	9	5	1,87	0,27	3	1	0

* Bland övriga substrat fanns bland annat Compact Dry YM, PDA och TEMPO YM.

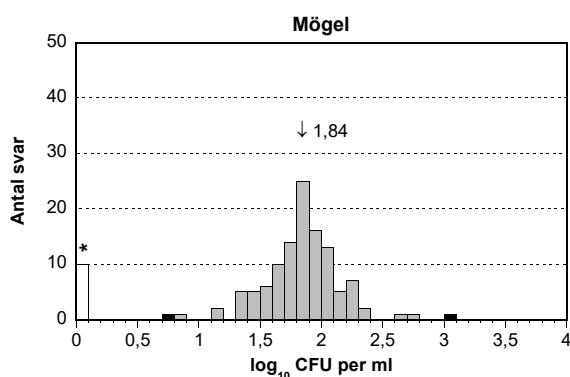
B



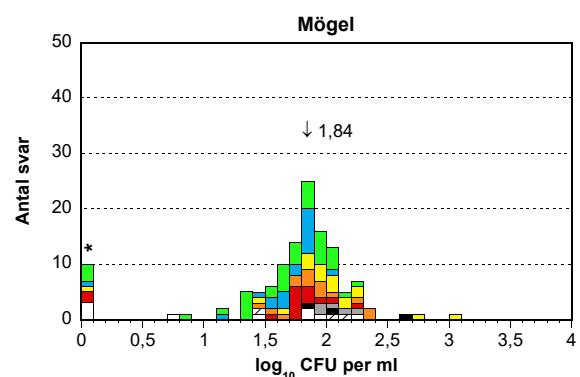
B



C



C



Utfallet av enskilda laboratoriers analysresultat – bedömning

Redovisning och bedömning av inrapporterade resultat

Alla laboratoriers samtliga inrapporterade svar redovisas i Bilaga 1, där även längsta och högsta accepterade värde för varje analys anges. Svar med anmärkning (falska svar och extremvärden) utmärks genom gulmarkering och fetstil.

Ansväret att rapportera in resultat på korrekt sätt åligger det enskilda laboratoriet utifrån de givna instruktionerna. I de fall när laboratorier rapporterat in resultat på felaktigt sätt, till exempel genom att ange ”pos” eller ”neg” för kvantitativa analyser, kan dessa inte bearbetas på rätt sätt. Sådana resultat exkluderas i normalfallet. Inkludering och vidare behandling av sådana resultat kan dock ske, efter manuell bedömning i varje enskilt fall.

Z-värden (se nedan) för enskilda analyser redovisas i bilaga 2 och används med fördel vid laboratoriernas egen uppföljning av resultaten.

Laboratorierna är i redovisningen inte grupperade eller rangordnade utifrån sina resultat. Ett laboratoriums prestation kan som helhet bedömas utifrån antalet falska svar och extremvärden som anges i Bilaga 1 och under boxdiagrammen.

Verksamhetsprotokollet (4) beskriver hur analysresultaten är bearbetade och ger kortfattade rekommendationer om hur resultaten kan följas upp. Extra prov för uppföljning av analyser med avvikande svar kan beställas utan kostnad via webbsidan www.livsmedelsverket.se/PT-extra

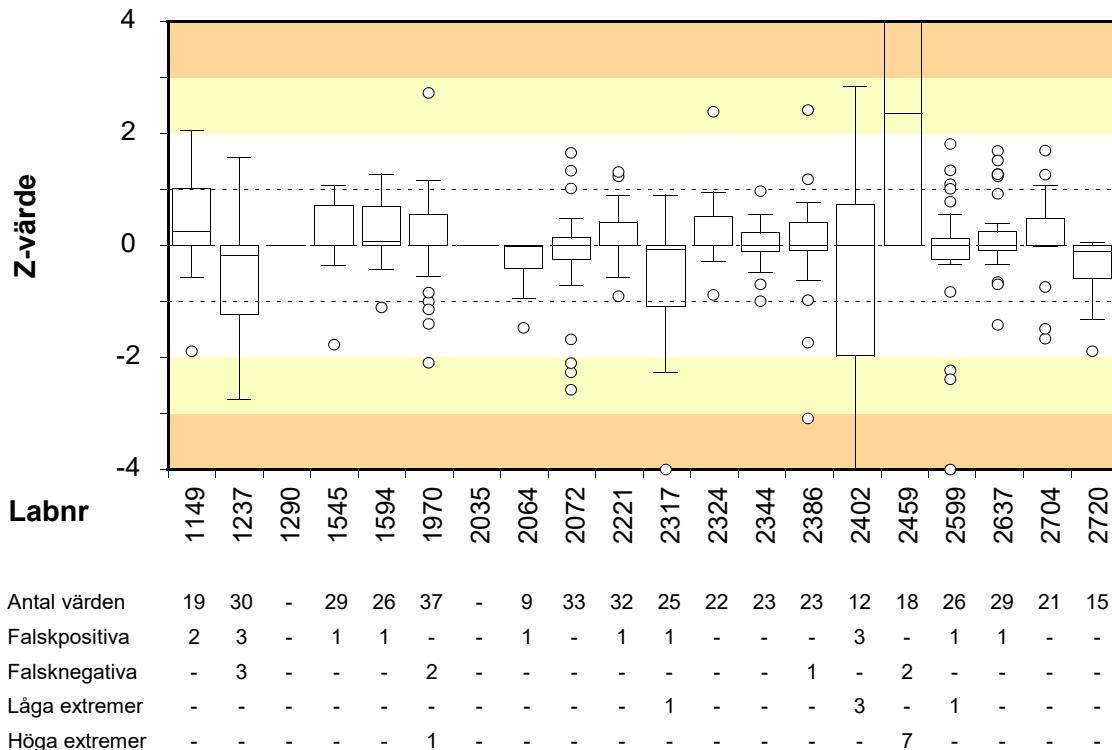
Z-värden, box-diagram och avvikande svar

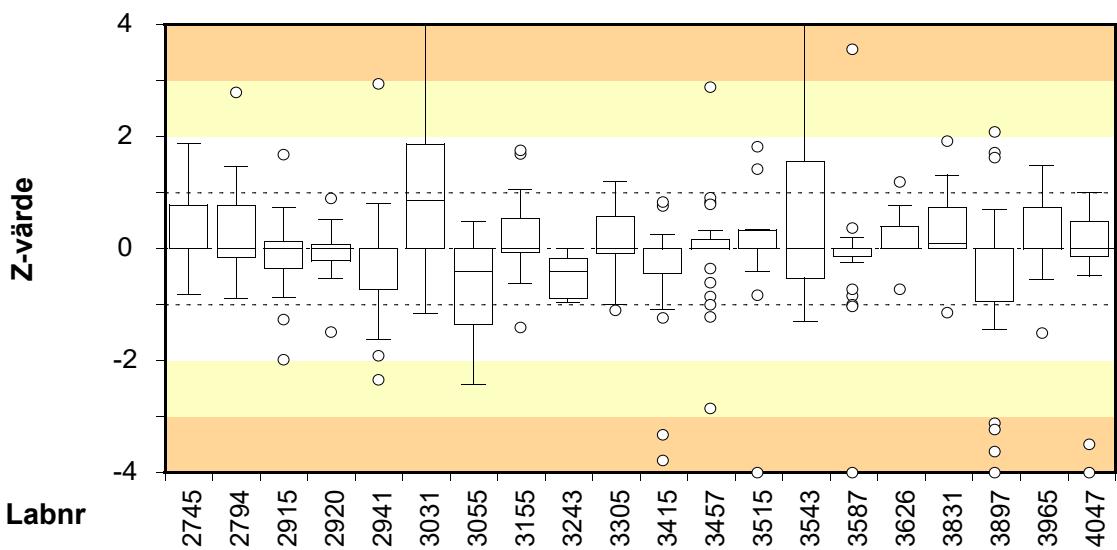
För att möjliggöra jämförelser av resultat från olika analyser och provblandningar med varandra omräknas laboratoriernas resultat från samtliga analyser till standardvärdet (z-värden). För kvantitativa analyser blir standardvärdet positivt eller negativt beroende på om resultatet ligger över eller under laboratoriernas gemensamma medelvärde.

Boxdiagrammen baseras på z-värdarna i bilaga 2, och ger en sammanfattande bild över varje enskilt laboratoriums resultat. En liten box, centrerad kring noll, indikerar att det individuella laboratoriets resultat, med falska resultat exkluderade, ligger nära medelvärdena av samtliga laboratoriers svar. Variationsbredden indikeras av storleken på boxen, samt för de flesta laboratorier även genom från boxen utstickande streck och/eller ringar. För varje enskilt laboratorium listas dessutom antalet falska svar och extremvärden i tabellerna under boxdiagrammen.

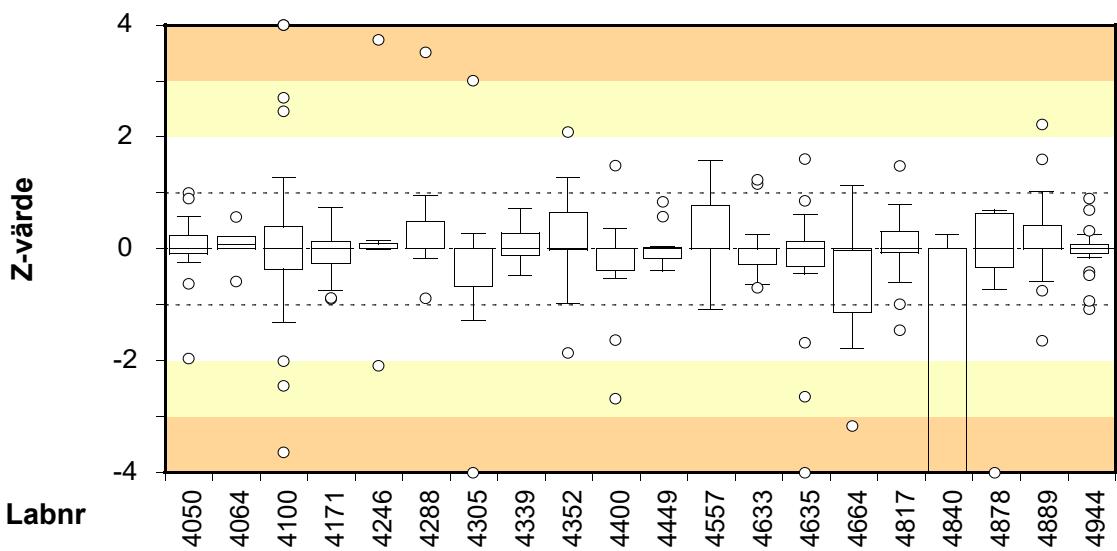
Box-diagram och antal avvikande värden för varje deltagande laboratorium

- Z-värden beräknas enligt formeln: $z = (x - m)/s$, där x är enskilt laboratoriums resultat, m är medelvärde beräknat från deltagande laboratoriers svar och s är standardavvikelse beräknad från deltagande laboratoriers svar, med extremvärden och falska svar bortagna.
 - Extremvärden ingår i diagrammen efter att de räknats om till z-värden på samma sätt som övriga resultat.
 - Falska svar genererar inte några z-värden och bidrar heller inte till "Antal värden".
 - Korrekta resultat för kvalitativa analyser och korrekta negativa resultat för kvantitativa analyser utan målorganism har erhållit z-värdet noll.
 - Laboratoriets medianvärde markeras med ett horisontellt streck i boxen.
 - Boxens volym innesluter 25 % av svaren över medianvärdet och 25 % av svaren under medianvärdet. Resterande 50 % av svaren innesluts av de från boxen utskjutande strecken och/eller ringarna.
 - En ring visas i diagrammet på teknisk grund då ett värde är i viss grad avvikande* från de övriga. Detta innebär inte i sig att värdet är ett extremvärde.
 - Z-värden $>+4$ och <-4 anges i boxdiagrammen som +4 respektive -4.
 - Bakgrunden i boxdiagrammen är uppdelad med linjer och i olika skuggade fält för att lättare visa inom vilket intervall ett laboratoriums värden hamnade.
- * $< [boxens minsta värde - 1,5 \times (boxens största värde - boxens minsta värde)]$ eller $> [boxens största värde + 1,5 \times (boxens största värde - boxens minsta värde)]$.

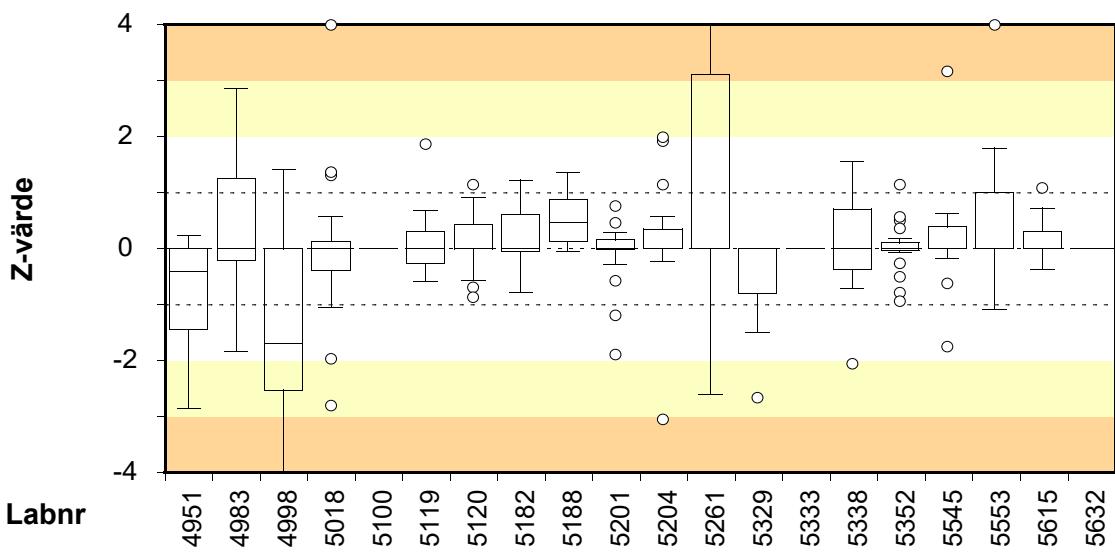




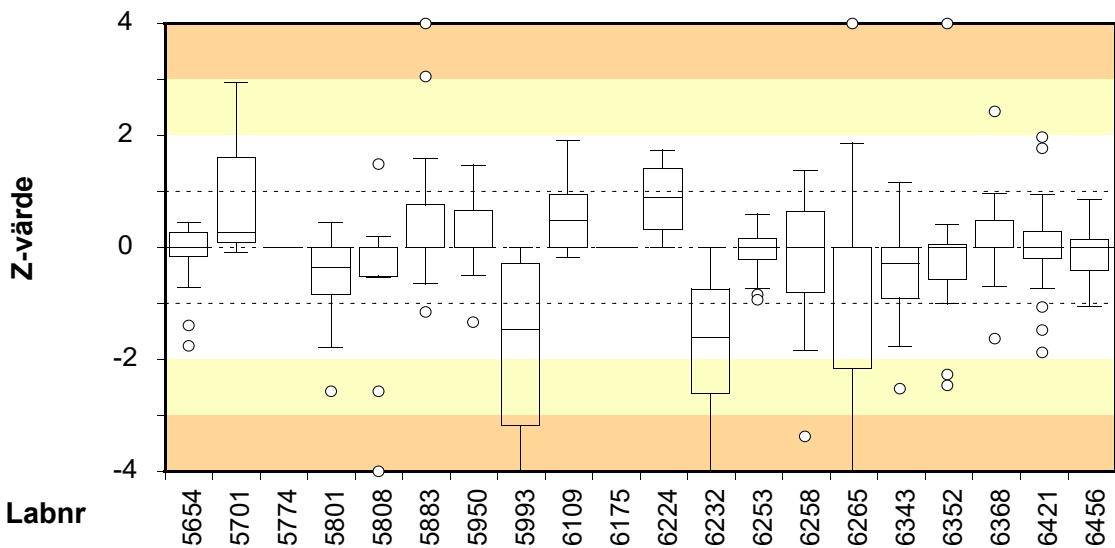
Antal värden	25	7	18	11	28	10	13	23	5	34	27	25	14	16	23	18	14	25	20	20
Falskpositiva	1	-	-	1	1	2	2	1	1	1	-	2	1	2	-	-	1	5	1	1
Falsknegativa	1	2	-	-	1	-	-	-	-	1	-	-	-	-	1	-	-	-	-	-
Låga extremer	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	1	-	1	-	1	-	-	1	-	1
Höga extremer	-	-	-	-	1	1	-	-	-	-	-	1	-	2	1	-	-	-	-	-



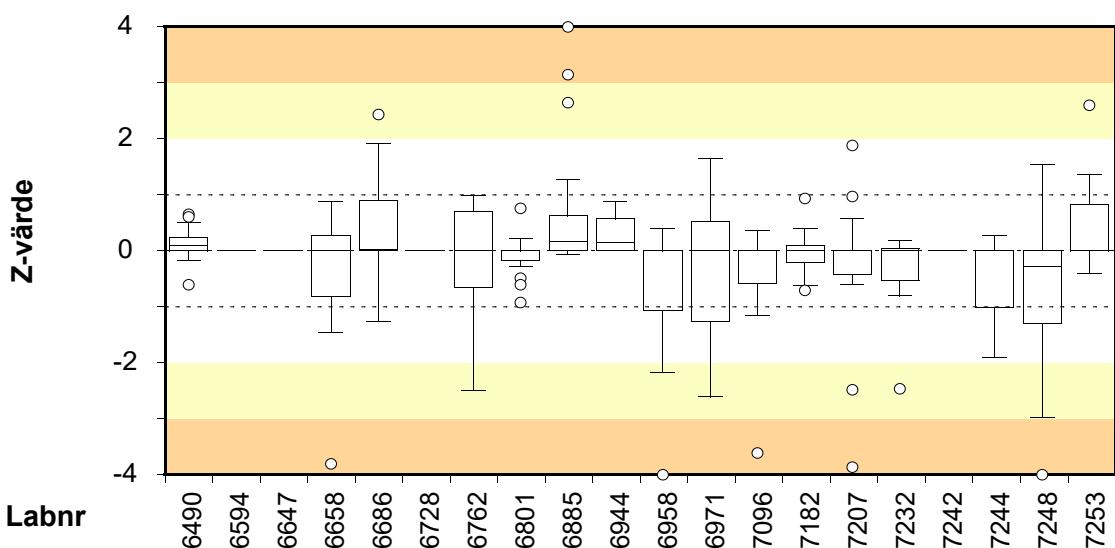
Antal värden	18	6	37	23	11	27	16	33	33	16	12	14	16	16	22	20	6	14	24	24
Falskpositiva	-	-	1	1	1	-	1	3	3	1	-	1	-	2	2	-	4	1	-	-
Falsknegativa	-	-	1	-	-	-	1	-	-	1	-	-	2	1	-	1	2	-	-	-
Låga extremer	-	-	-	-	-	-	1	-	-	-	-	-	-	1	1	-	2	2	-	-
Höga extremer	-	-	2	-	1	1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-



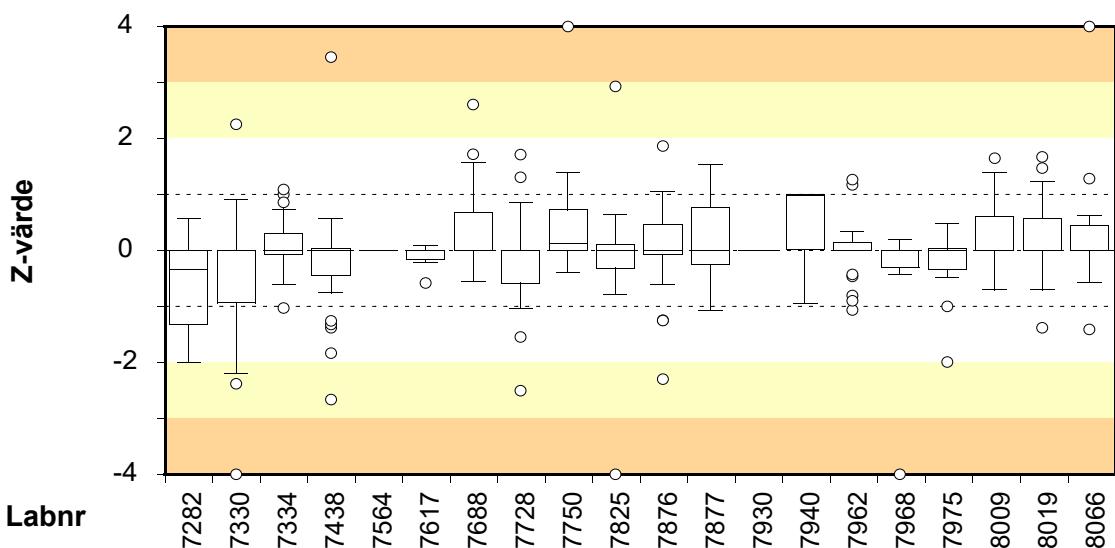
Antal värden	14	14	8	34	-	11	33	16	8	18	31	15	22	-	11	23	14	18	25	-	
Falskpositiva	1	1	1	2	-	1	2	1	-	2	2	-	-	-	1	-	1	-	1	-	
Falsknegativa	-	-	-	-	-	-	-	1	1	-	1	-	-	2	-	-	1	-	-	1	-
Låga extremer	-	-	1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Höga extremer	-	-	-	1	-	-	-	-	-	-	-	2	-	-	-	-	1	1	-	-	-



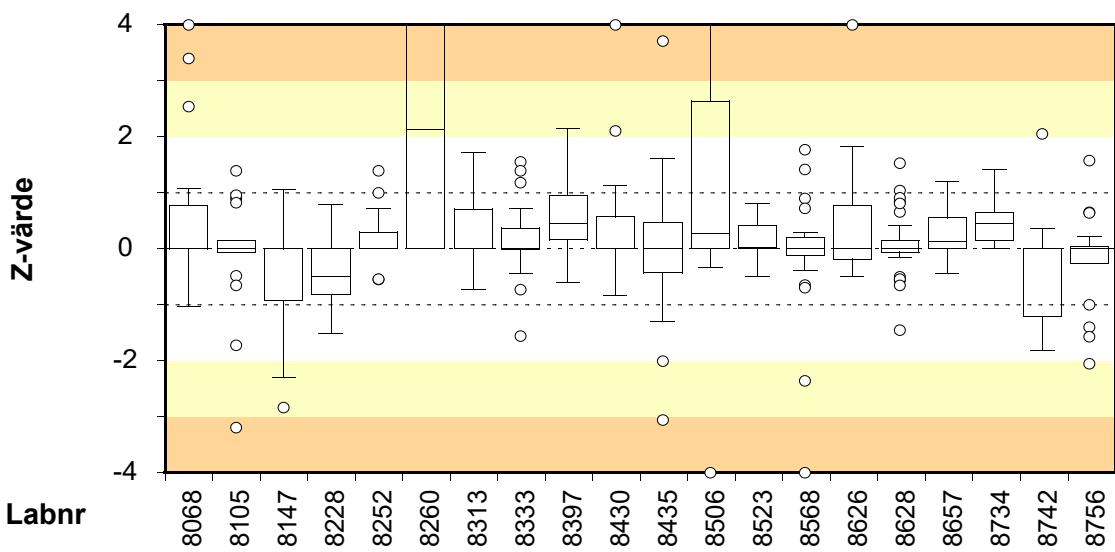
Antal värden	15	3	-	14	13	24	39	4	21	-	8	5	18	11	30	27	25	33	32	21
Falskpositiva	-	-	-	1	-	-	-	1	-	-	1	1	-	-	-	3	2	-	1	-
Falsknegativa	-	-	-	-	-	2	-	-	1	-	-	-	-	-	1	3	-	-	-	-
Låga extremer	-	-	-	-	1	-	-	1	-	-	-	1	-	-	2	-	-	-	-	-
Höga extremer	-	-	-	-	-	-	1	-	-	-	-	-	-	-	1	-	1	-	-	-



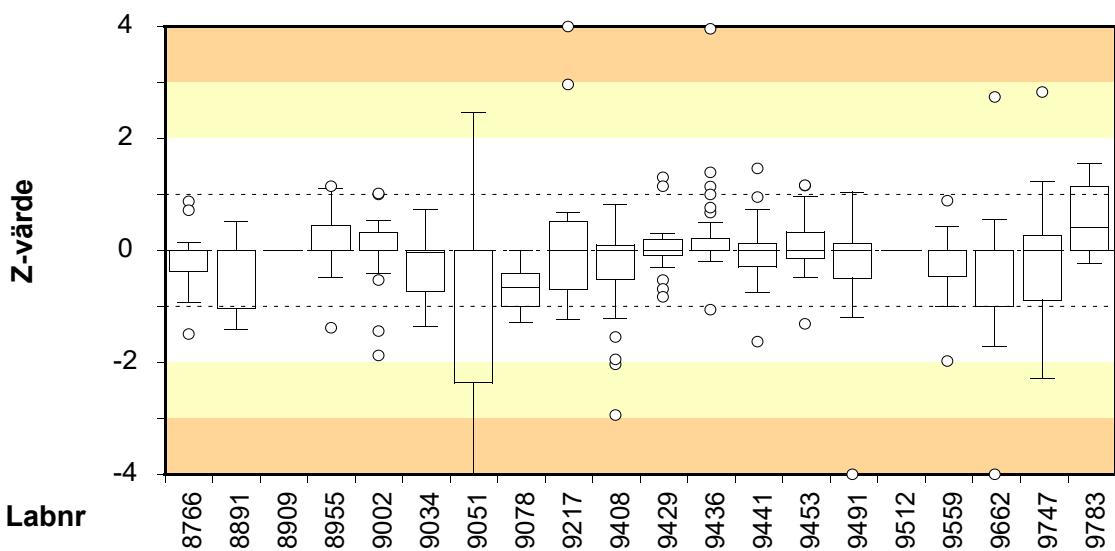
Antal värden	21	-	-	13	28	-	8	15	23	12	15	8	9	15	18	9	-	11	36	27	
Falskpositiva	-	-	-	2	1	-	1	-	1	-	-	1	-	1	-	-	-	-	-	1	-
Falsknegativa	-	-	-	-	1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	1	2	-
Låga extremer	-	-	-	1	-	-	-	-	-	-	-	1	-	1	-	1	-	-	-	1	-
Höga extremer	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	1	-	-	-	-	-	-	-	-	-



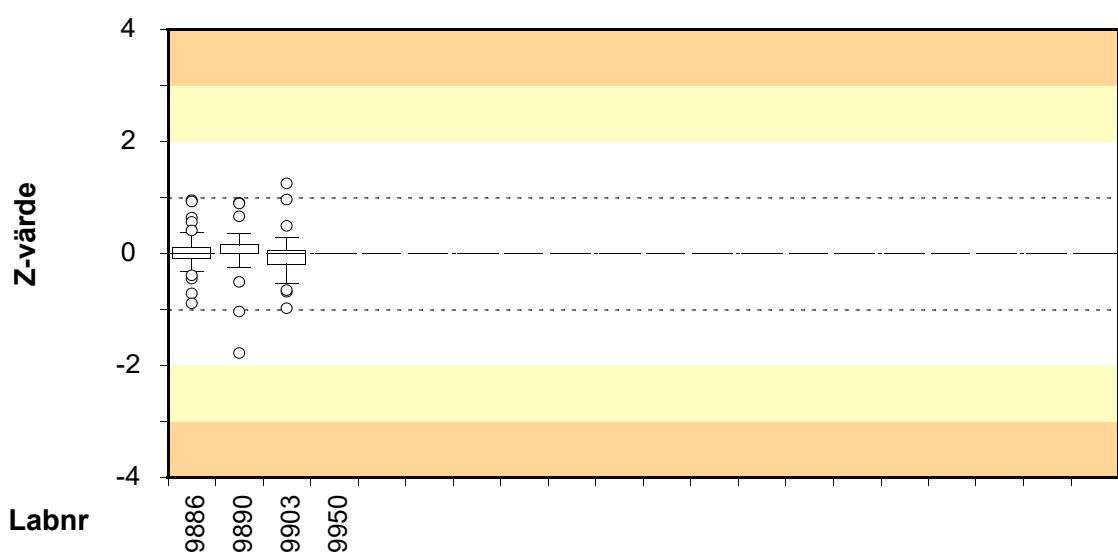
Antal värden	21	21	20	27	-	9	31	26	12	17	24	14	-	3	21	7	15	19	34	15
Falskpositiva	-	-	-	-	-	-	1	-	-	4	-	1	-	-	-	2	-	2	2	3
Falsknegativa	-	-	-	-	-	-	1	1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
Låga extremer	-	1	-	-	-	-	-	-	-	1	-	-	-	-	-	1	-	-	-	-
Höga extremer	-	-	-	-	1	-	-	-	-	1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	1



Antal värden	24	18	25	15	21	27	24	23	21	17	24	17	20	23	12	35	12	7	9	20
Falskpositiva	-	-	1	1	-	-	-	-	1	1	1	-	-	1	-	1	-	-	-	
Falsknegativa	-	-	4	2	-	-	-	-	-	-	-	-	1	-	-	-	-	-	1	
Låga extremer	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	1	-	1	-	-	-	-	
Höga extremer	2	-	-	-	-	-	12	-	-	-	1	1	4	-	-	1	-	-	-	



Antal värden	24	21	-	35	28	12	12	5	12	35	21	31	32	18	21	-	21	36	13	9
Falskpositiva	-	-	-	1	1	-	-	1	4	1	-	1	1	-	2	-	2	-	1	-
Falsknegativa	-	-	-	-	1	-	-	-	2	-	-	1	-	-	-	-	1	-	1	-
Låga extremer	-	-	-	-	-	-	-	2	-	-	-	-	-	-	1	-	-	1	-	-
Höga extremer	-	-	-	-	-	-	-	-	-	1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-



	9886	9890	9903	9950
Antal värden	31	21	24	-
Falskpositiva	1	3	-	-
Falsknegativa	1	-	-	-
Låga extremer	-	-	-	-
Höga extremer	-	-	-	-

Testmaterial och kvalitetskontroll

Testmaterial

Testmaterialet bestod av tre frystorkade mikroorganismblandningar, A-C, som tillverkades och frystorkades portionsvis (0,5 ml) i vialer enligt beskrivning av Peterz och Steneryd (5). Före provansättning ska innehållet i en vial lösas upp i 254 ml steril spädningsvätska. Innehållet i provblandningarna framgår av tabell 2.

Tabell 2. Mikroorganismer i respektive provblandning

Prov ¹	Mikroorganism	Stambeteckning	
		SLV-nr. ²	Referens ³
A	<i>Aeromonas hydrophila</i>	SLV-454	CCUG 30 208
	<i>Clostridium perfringens</i>	SLV-442	CCUG 43593
	<i>Staphylococcus warneri</i>	SLV-565	CCUG 61870
	<i>Staphylococcus aureus</i>	SLV-350	CCUG 45099
	<i>Shewanella putrefaciens</i>	SLV-520	CCUG 46538
B	<i>Aspergillus flavus</i>	SLV-480	CBS 282.95
	<i>Bacillus cereus</i>	SLV-518	CCUG 44741
	<i>Brochothrix thermosphacta</i>	SLV-220	CCUG 45641
	<i>Clostridium perfringens</i>	SLV-442	CCUG 43593
	<i>Hanseniaspora uvarum</i>	SLV-555	-
	<i>Shewanella putrefaciens</i>	SLV-520	CCUG 46538
C	<i>Bacillus cereus</i>	SLV-160	CCUG 45098
	<i>Cladosporium cladosporioides</i>	SLV-488	CBS 812.96
	<i>Escherichia coli</i>	SLV-524	CCUG 47554
	<i>Kluyveromyces marxianus</i>	SLV-439	CBS G99-106
	<i>Lactobacillus plantarum</i>	SLV-475	CCUG 30503
	<i>Staphylococcus xylosus</i>	SLV-283	Ost, 1989

¹ För koppling av slumpad provbeteckning till respektive provblandning hänvisas till bilaga 1.

² Internt stamnummer på Livsmedelsverket.

³ Ursprung eller stamsamling (CBS: Westerdijk Fungal Biodiversity Institute, CCUG: Culture Collection University of Gothenburg, Sweden).

Kvalitetskontroll av provblandningarna

Homogena provblandningar och lika volym i varje vial är nödvändigt för att samtliga tillverkade frystorkade prov från en provblandning ska vara jämförbara. Kvalitetskontroll av provblandningarna utförs på 10 vialer i samband med tillverkningen eller på 5 vialer om en ”gammal” provblandning används och den sista kvalitetskontrollen utfördes för mer än 6 månader sedan. Kriteriet för homogenitet för samtliga analyser är att värdena vid test av reproducerbarhet (T) och vid test med ”Index of dispersion” mellan vialer (I_2) inte samtidigt överskrider gränsvärdena 2,6 respektive 2,0. (För definitioner av T och I_2 , se referenserna 6 respektive 7.)

Tabell 3: Medelvärdet av halter (m), I_2 - och T-värden från kvalitetskontroll av provblandningarna; m anges i \log_{10} cfu (colony forming units) per ml prov.

Analys och metod	A ¹			B ¹			C ²		
	m	I_2	T	m	I_2	T	m	I_2	T
Aeroba mikroorganismer, 30 °C NMKL-metod nr. 86:2013	4,82	0,46	1,18	4,20	0,19	1,24	4,57	0,82	1,36
Psykrotrofa mikroorganismer NMKL-metod nr. 86:2013	3,06	1,23	2,61	4,74	0,35	1,17	4,34	1,83	1,81
Enterobacteriaceae NMKL-metod nr. 144:2005	2,69 ³	0,90 ³	2,47 ³	-	-	-	3,65	0,82	1,31
<i>Escherichia coli</i> NMKL-metod nr. 125:2005	-	-	-	-	-	-	3,74	1,53	1,37
Presumtiv <i>Bacillus cereus</i> NMKL-metod nr. 67:2010	3,18 ³	0,67 ³	3,15³	4,06	0,55	1,51	4,59	0,59	1,28
Koagulaspositiva stafylokocker NMKL-metod nr. 66:2009	4,21	0,58	1,18	-	-	-	3,25	1,69	4,03
Mjölksyrabakterier NMKL-metod nr. 140:2007	-	-	-	-	-	-	3,65	1,07	1,36
<i>Clostridium perfringens</i> NMKL-metod nr. 95:2009	3,11	0,85	1,25	2,56	0,57	1,29	-	-	-
Anaeroba sulfitreducerande bakterier NMKL-metod nr. 56:2015	3,23	1,49	1,32	2,77	1,88	1,43	-	-	-
Aeroba mikroorganismer i fiskprodukter NMKL-metod nr. 184:2006	4,54	3,15	1,30	4,60	2,88	1,77	4,64	1,49	1,43
H ₂ S-producerande bakterier i fiskprodukter NMKL-metod nr. 184:2006	4,12	3,25	1,59	3,55	1,12	4,11	-	-	-
Jäst NMKL-metod nr. 98:2005	-	-	-	2,38	0,34	1,26	2,49	1,95	1,63
Mögel NMKL-metod nr. 98:2005	-	-	-	2,33	1,04	1,54	2,18	0,13	1,21

[–] Ingen målorganism och därför inget värde

¹ n = 5 vialer med dubbelanalyser

² n = 10 vialer med dubbelanalyser

³ Ej målorganism för analysen

Referenser

1. Kelly, K. 1990. Outlier detection in collaborative studies. *J. Assoc. Off. Anal. Chem.* 73:58–64.
2. de Jong A.E.I., Eijhusen, G.P., Brouwer-Post, E.J.F., Grand, M., Johansson, T., Kärkkäinen, T., Marugg, J., in't Veld, P.H., Warmerdam, F.H.M., Wörner, G., Zicavo, A., Rombouts, F.M., Beumer, R.R. 2003. Comparison of media for enumeration of *Clostridium perfringens* from foods, *Journal of Microbiological Methods*, 54(3):359–366.
3. Byrne, B., Scannell, A.G.M., Lyng, J., Bolton, D.J. 2008. An evaluation of *Clostridium perfringens* media, *Food Control* 19(11):1091–1095
4. Anonym, 2018. Verksamhetsprotokoll. Mikrobiologi. Dricksvatten & Livsmedel, Livsmedelsverket.
5. Peterz, M., Steneryd. A.C. 1993. Freeze-dried mixed cultures as reference samples in quantitative and qualitative microbiological examinations of food. *Journal of Applied Bacteriology*. 74:143–148.
6. Mooijman, K.M., During, M. & Nagelkerke, N.J.D. 2003. MICROCRM: Preparation and control of batches of microbiological materials consisting of capsules. RIVM report 250935001/2003. RIVM, Bilthoven, Holland.
7. Heisterkamp, S.H., Hoekstra, J.A., van Strijp-Lockefer, N.G.W.M., Havelaar, A.H., Mooijman, K.A., in't Veld, P.H., Notermans, S.H.W., Maier, E.A. ; Griepink, B. 1993. Statistical analysis of certification trials for microbiological reference materials. Luxembourg: Commission of the European Communities, Report EUR 15008 EN.

Lab nr.	Provnr.	Aeroba mikroorganismer 30 °C			Psykrotrofa mikroorganismer			Enterobacteriaceae			Escherichia coli			Presumptiv Bacillus cereus			Koagulas-positive stafylokocker			Mjölkssyrbakterier			Clostridium perfringens			Anaeroba sulfit-reducerande bakterier			Aeroba m.o. i fiskprodukter, 20-25 °C			H ₂ S-prod. bakterier i fiskprodukter			Jäst			Lab nr.
		A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C	A	B	C				
8734	3 1 2	0,490	1,416	0,454																														8734				
8742	3 1 2	-1,315	-1,209	-1,819																														8742				
8756	3 1 2	0,654	1,579	-0,251																														8756				
8766	1 2 3	-0,166	-0,466	0,140																														8766				
8891	3 2 1	-0,494	-1,139	-1,270																														8891				
8909	1 3 2																																	8909				
8955	1 3 2	-0,330	-0,305	0,960																														8955				
9002	1 2 3	0,244	-0,419	0,532	-1,874	0,313																												9002				
9034	2 3 1	-0,084	-1,348	-1,192	0	0	-0,319	0	0	0,729	0	0	0,574																				9034					
9051	1 3 2																																	9051				
9078	3 2 1	-0,412	-1,279	-0,996																														9078				
9217	2 1 3	-1,233	-0,721	0,376																														9217				
9408	1 2 3	-2,939	0,046	0,144																														9408				
9429	3 2 1	1,310	-0,303	0,258																														9429				
9436	2 1 3	0,080	-0,140	-0,056																														9436				
9441	1 2 3																																	9441				
9453	1 3 2	0,326	-0,489	-1,309	-1,627	-0,442	-0,200																										9453					
9491	3 2 1																																	9491				
9512	3 2 1																																	9512				
9559	3 1 2	0,408	-0,326	-1,975																														9559				
9662	2 3 1	-1,397	-1,162	-1,035																														9662				
9747	1 2 3	1,228	2,833	-1,231																														9747				
9783	2 3 1	1,146	1,555	0,611																														9783				
9886	1 3 2	-0,248	0,162	0,650	-0,123	0,963	0,569					0	0,058	0	0	-0,705	0	0,940	0,421	0	0	0	0,377	-0,444	-0,382	0	0,015	-0,311	0					9886				
9890	1 3	-0,494	0,162	0,376								0	0,673	0	0	0,148	0	0,124	-0,234	-1,771	0	0	0,913															9890
9903	2 3 1	-0,330	-0,675	-0,643								0	0	-0,166	0	0	-0,971	0	0,970	-0,197	-0,535	0	0	0,293	0,134	0											9903	
9950	1 3 2																																	9950				

 Analysresultaten utvärderas inte

Intern och extern kontroll av dricksvatten- och livsmedelsanalyser

I all analysverksamhet är det viktigt att arbetet håller en dokumenterat hög standard. För detta ändamål har de flesta laboratorier någon form av internt system för kvalitetssäkring. Hur väl analyserna fungerar måste dock även utvärderas av oberoende part. Genom deltagande i kompetensprovningar (PT) får laboratorierna en extern kvalitetskontroll av sin kompetens, vilket ackrediteringsorganen vanligen kräver.

Vid en kompetensprovning analyseras likadana prov av ett antal laboratorier med sina rutinmetoder. Organisatören sammanställer och utvärderar resultaten i form av en rapport.

Livsmedelsverkets kompetensprovningar ger

- Extern och oberoende utvärdering av laboratoriers analyskompetens.
- Ökad kunskap om analysmetoder för olika typer av organismer.
- Expertstöd.
- Underlag för bedömning av ackreditering.
- Extra material för uppföljning av resultat utan kostnad.

För mer information, besök vår webbplats: <https://www2.slv.se/absint>

Livsmedelsverkets referensmaterial

Som ett komplement till kompetensprovningarna, men utan specifik ackreditering, tillverkar och säljer Livsmedelsverket även ett antal olika referensmaterial (RM) för interna kontroller av livsmedels- och dricksvattenanalyser, inklusive analyser av patogener.

För mer information, besök vår webbplats: www.livsmedelsverket.se/RM-micro